

# Лекция 5

## Корреляции Регрессионный анализ

# КОРРЕЛЯЦИИ (correlation)

До сих пор нас в выборках интересовала только **одна зависимая переменная**.

Мы изучали, отличается ли распределение этой переменной в одних условиях от распределения той же переменной в других условиях (скажем, сравнивали разные группы в ANOVA).

Обратимся к ситуации, когда зависимых переменных будет **ДВЕ** или более.

*Нас интересует вопрос, в какой степени эти переменные связаны между собой.*

Это могут быть измерения одной особи или связанных пар.

## Корреляции

Мы исследуем сусликов. И хотим узнать, связаны ли между собой у них масса и длина хвоста?

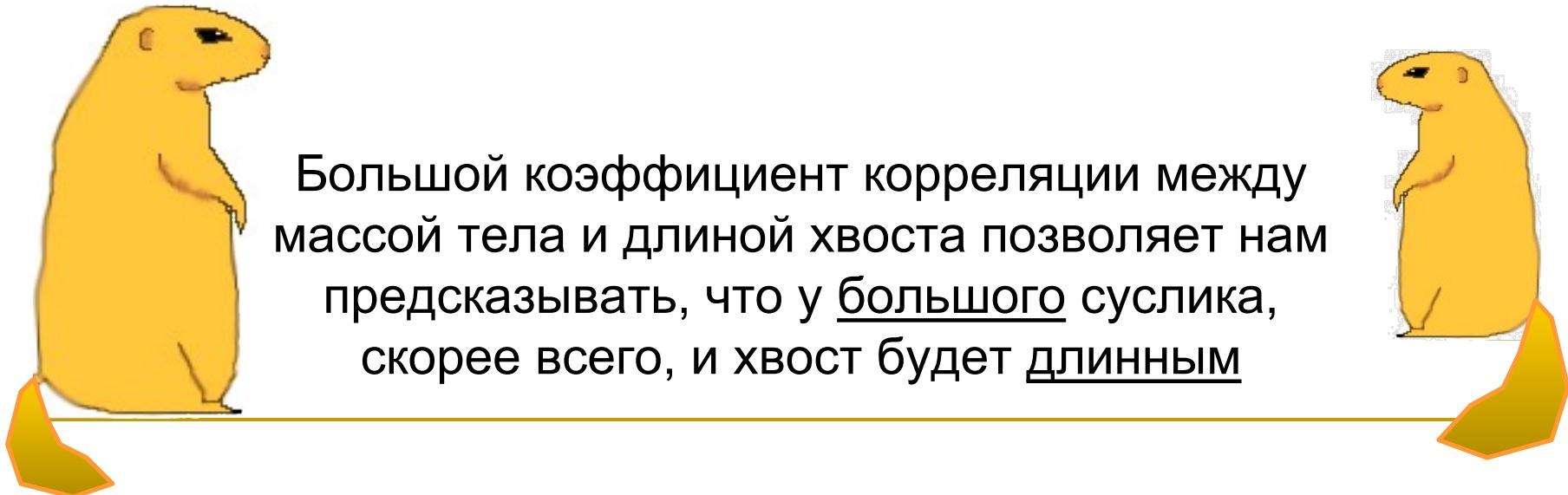
Переменные – 1. масса; 2. длина хвоста.



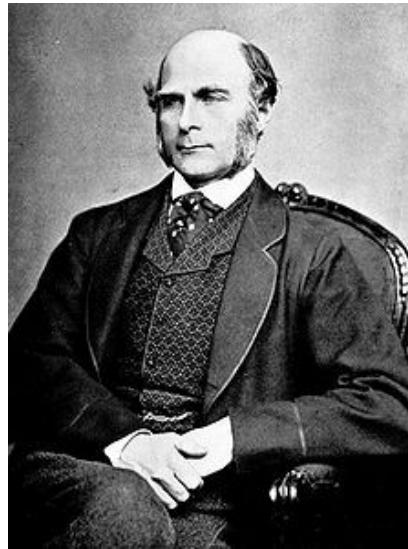
*Вопрос:* в какой степени две переменные **СОВМЕСТНО ИЗМЕНЯЮТСЯ?** (т.е., можно ли предполагать, что если у особи одна переменная принимает большое значение, то и значение второй переменной будет большим, или, наоборот, маленьким)

**КОЭФФИЦИЕНТ КОРРЕЛЯЦИИ** характеризует силу связи между переменными.  
**ЭТО ПРОСТО ПАРАМЕТР ОПИСАТЕЛЬНОЙ СТАТИСТИКИ**

Большой коэффициент корреляции между массой тела и длиной хвоста позволяет нам предсказывать, что у большого суслика, скорее всего, и хвост будет длинным



## Коэффициент корреляции Пирсона (Pearson product-moment correlation coefficient $r$ )



Francis Galton  
(1822-1911)

У истоков биометрии стоял Фрэнсис Гальтон (1822-1911) - двоюродный брат Чарлза Дарвина (1809-1882). Ф. Гальтон впервые (1889) ввел в употребление термин «biometrika»; им было введено понятие «регрессии» и разработаны основы корреляционного анализа. Он заложил основы новой науки и дал ей имя, но в стройную научную дисциплину ее превратил математик Карл Пирсон (1857-1936).



Karl Pearson  
(1857 –1936 )

**Коэффициент корреляции Пирсона** характеризует существование **линейной зависимости** между двумя величинами.

## Коэффициент корреляции

1. Может принимать значения от -1 до +1
2. Знак коэффициента показывает *направление связи* (прямая или обратная)
3. Абсолютная величина показывает *силу связи*
4. всегда основан на парах чисел (измерений 2-х переменных от одной особи или 2-х переменных от разных, но связанных особей)

$r$  – в случае, если мы характеризуем ВЫБОРКУ

$\rho$  - если мы характеризуем ПОПУЛЯЦИЮ

# Рост братьев: коэффициент корреляции $r$ -?



1.  $r=1.0$ : если Вася высокого роста, значит, Юра тоже высокий, это не предположение, а **факт**.
2.  $r=0.7$ : если Вася высокий, то, **скорее всего**, Юра тоже высокий.
3.  $r=0.0$ : если Вася высокий, то мы... не можем сказать о росте Юры **НИЧЕГО**.

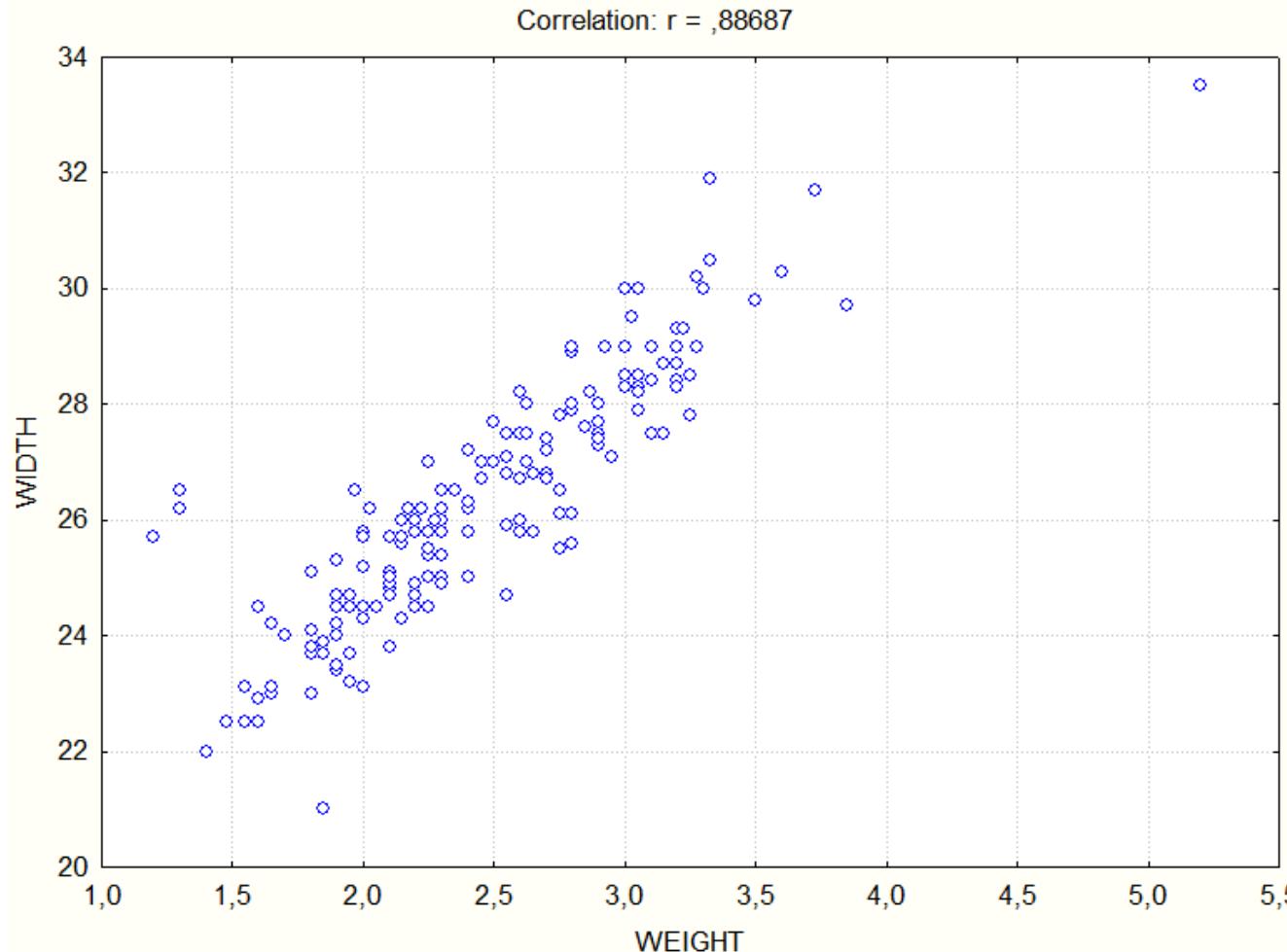


*Вася*

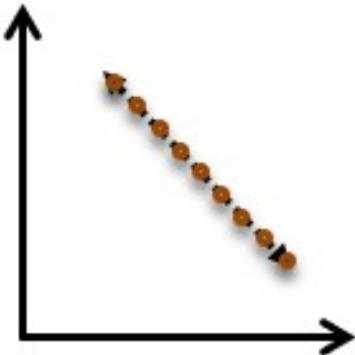
*Юра*

# Скаттерплот

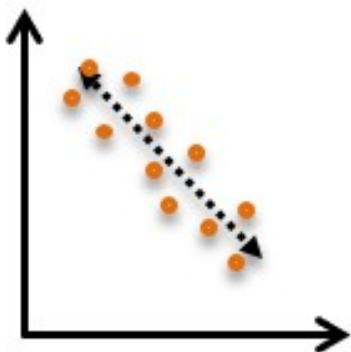
(= диаграмма рассеяния; scatterplot, scatter diagram)



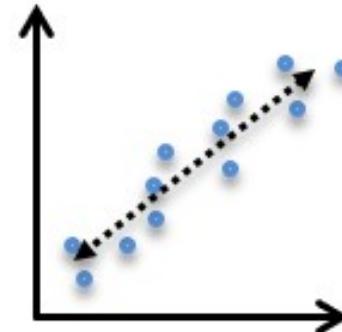
**Две** характеристики: – наклон (направление связи) и ширина (сила связи) воображаемого эллипса



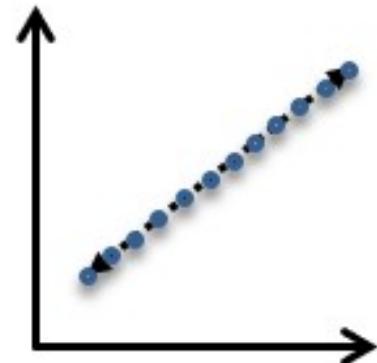
$r = -1.0$



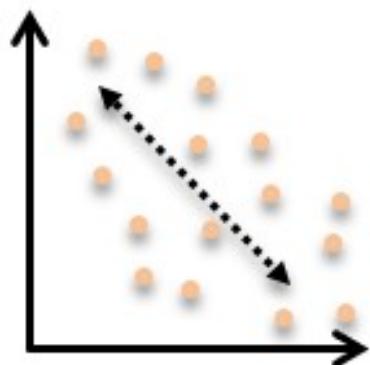
$r = -0.8$



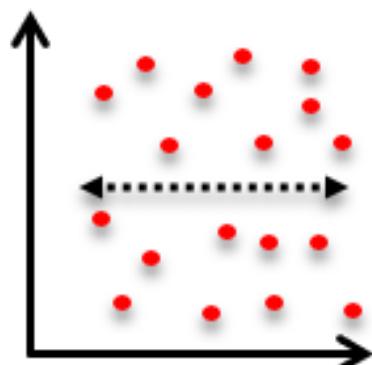
$r = 0.8$



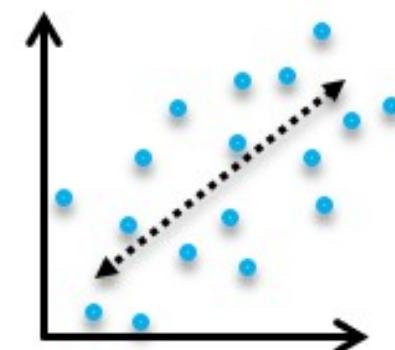
$r = 1.0$



$r = -0.3$



$r = 0.0$



$r = 0.3$

## Коэффициент корреляции Пирсона

сурок	вес	хвост
Дима	72	160
Гриша	66	144
Миша	68	154
Коля	74	210
Федя	68	182
Рома	64	159
	68,7	168,2

$$r = \frac{\sum z_{X_i} z_{Y_i}}{n - 1}$$

число строк  
(суроков)

$$z_{X_i} = \frac{X_i - \bar{X}}{S_X}$$
$$z_{Y_i} = \frac{Y_i - \bar{Y}}{S_Y}$$

стандартное  
отклонение для веса

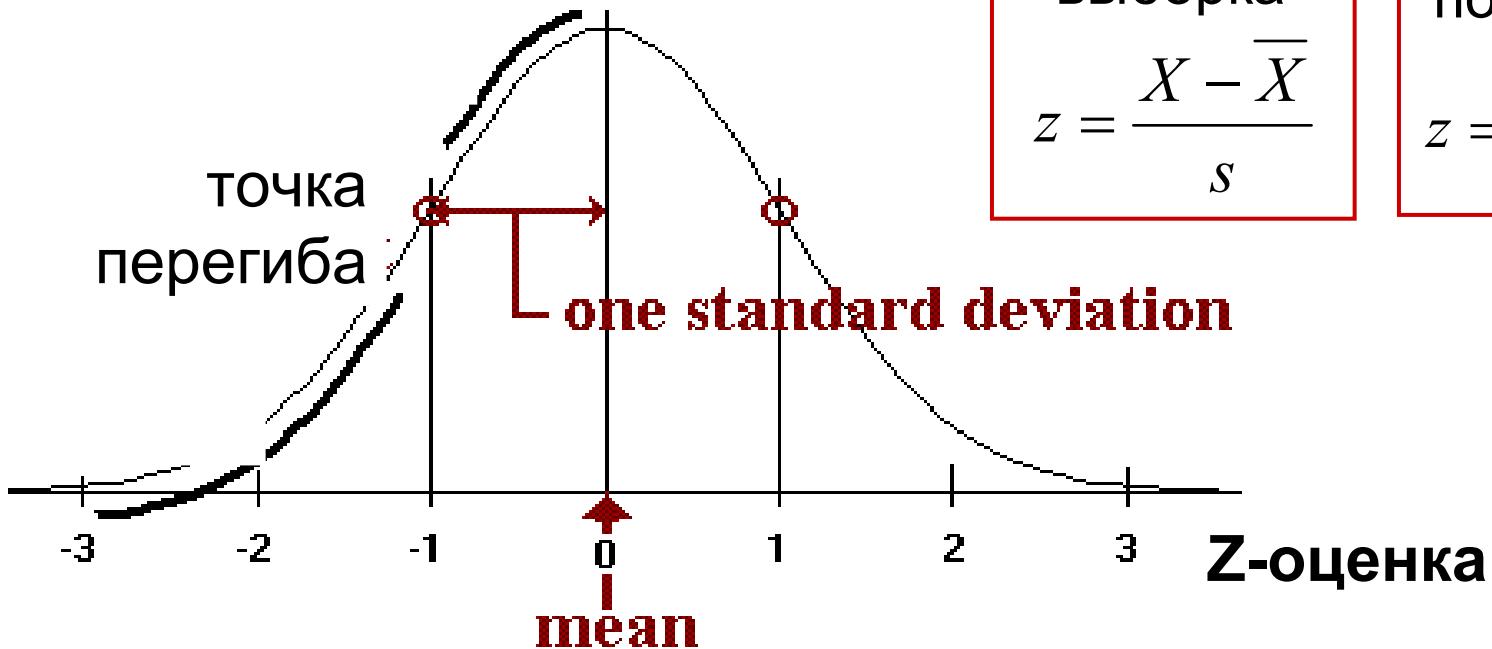
стандартное  
отклонение для хвоста

для каждого  $X$  и  $Y$  (для каждого сурока)

Это одна из нескольких эквивалентных формул для коэффициента корреляции Пирсона

Для понимания величины коэффициента корреляции Пирсона необходимо вспомнить, что из себя представляет z-оценка

**Z-оценка (z-scores)** – переменная, соответствующая количество стандартных отклонений относительно среднего значения



$$r = \frac{\sum z_X z_Y}{n-1}$$

параметр  
ВЫБОРКИ

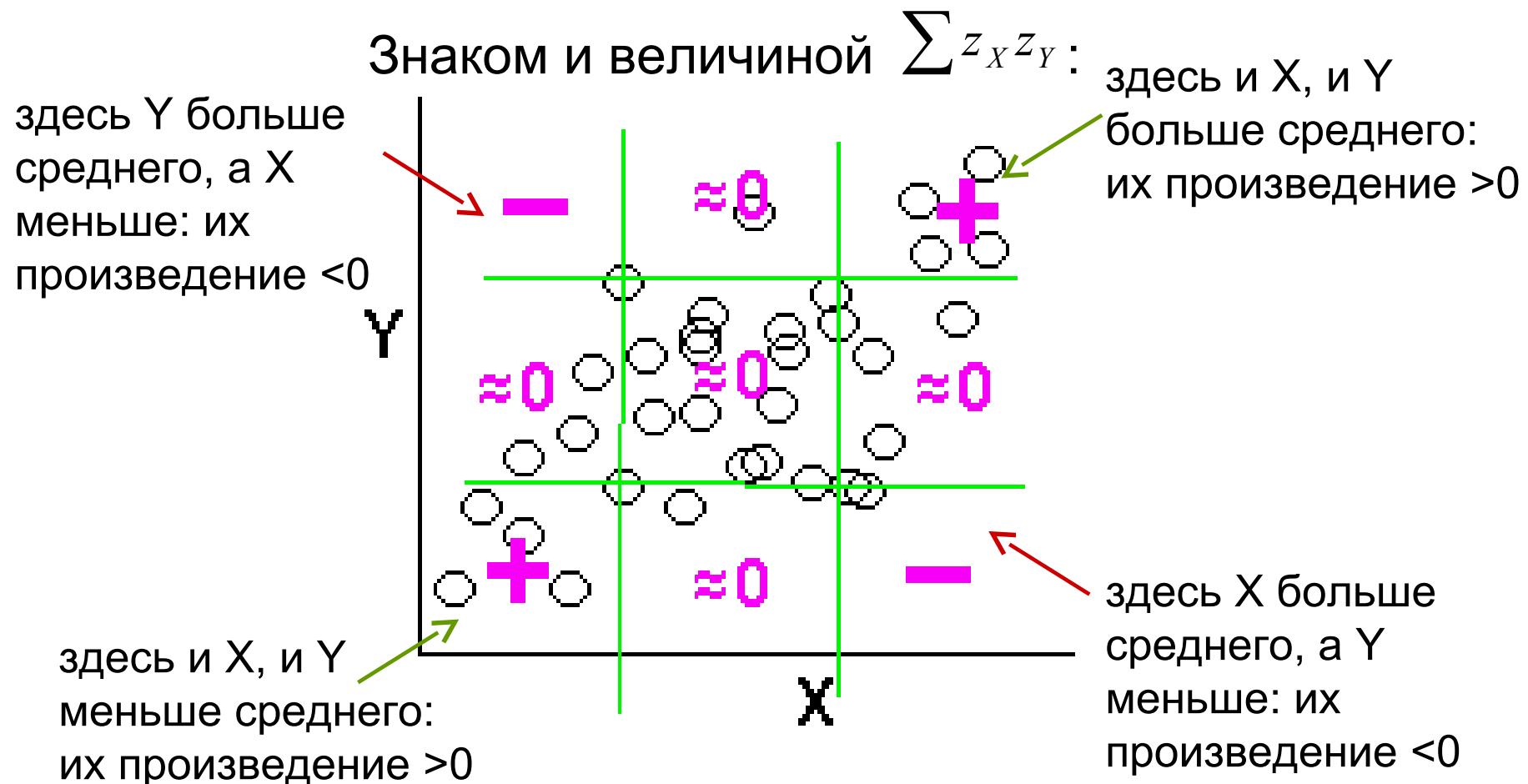
$$\rho = \frac{\sum z_X z_Y}{N}$$

параметр  
ПОПУЛЯЦИИ

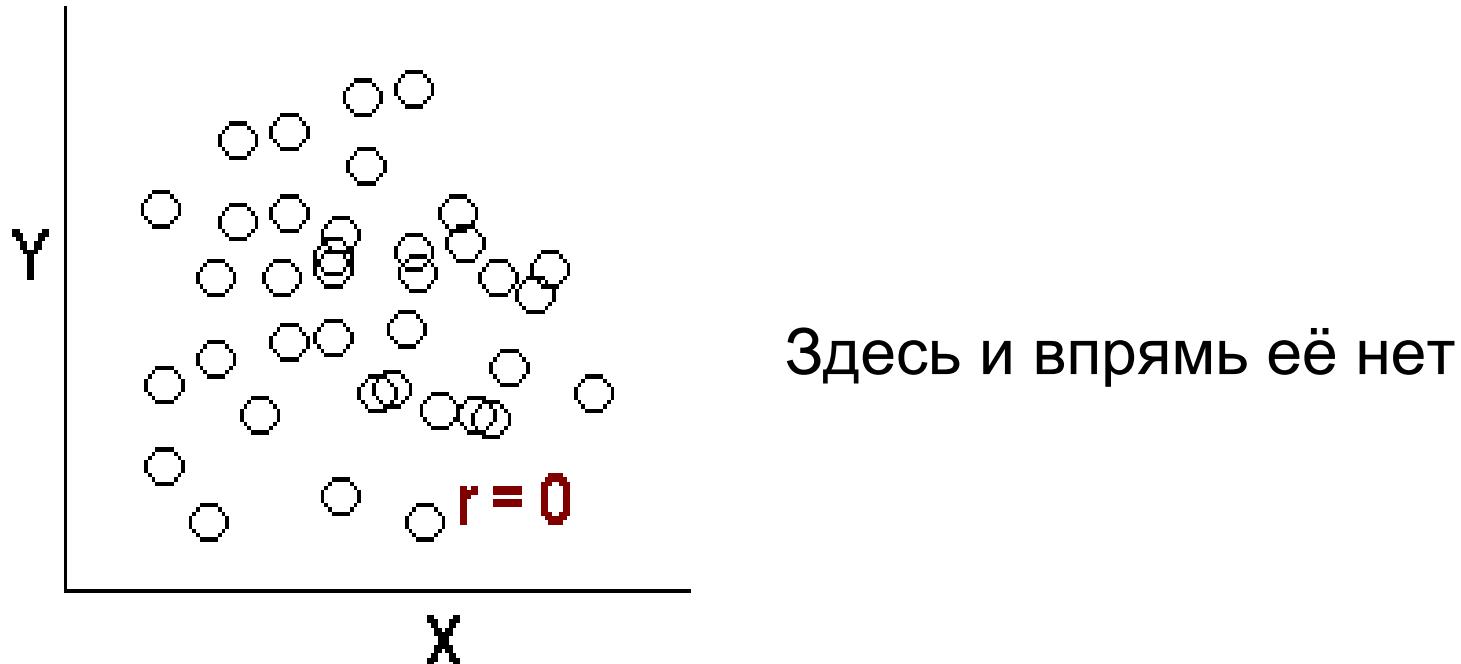
*Всё как для других параметров описательной статистики: среднего, дисперсии, и т.д.!*

Что определяет  $\sum z_X z_Y$  ?

## Чем определяются **знак и величина** коэффициента корреляции?



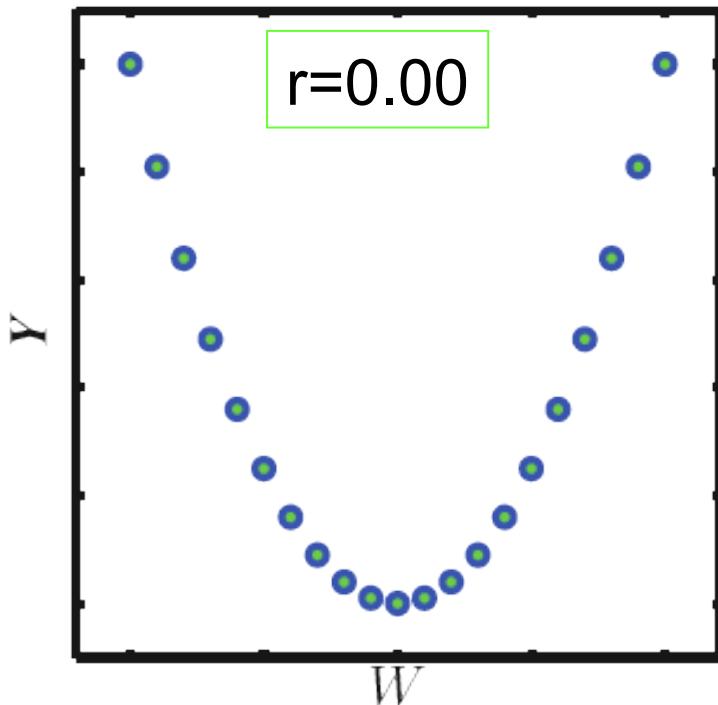
Создаётся впечатление, что близкий к нулю коэффициент корреляции говорит о том, что связи между переменными нет или почти нет.



НО это не всегда так, есть исключения.

## Факторы, влияющие на коэффициент корреляции

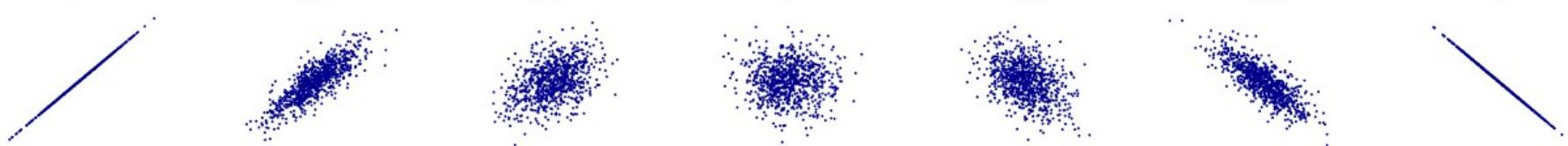
1. Коэффициент корреляции Пирсона оценивает только линейную связь переменных!  
И он не покажет нам **наличие нелинейной связи**



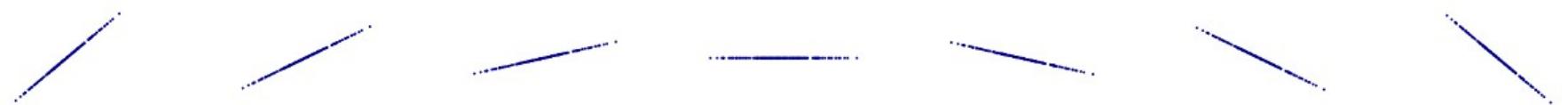
Здесь связь переменных есть, и она очень сильная, но  $r=0.00$



1 0.8 0.4 0 -0.4 -0.8 -1



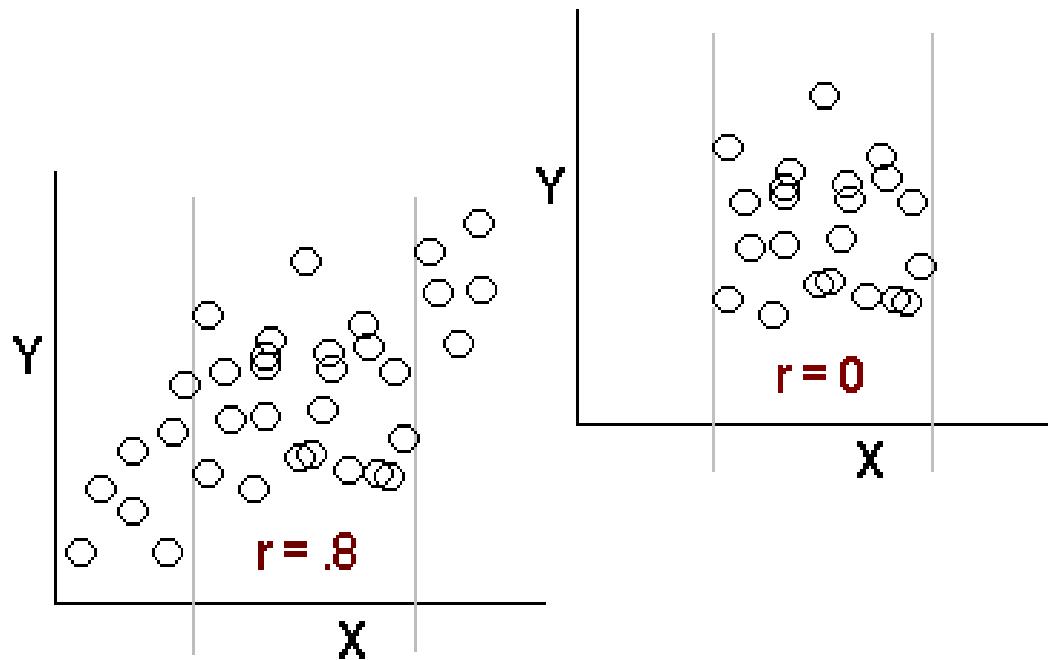
1 1 1 -1 -1 -1



0 0 0 0 0 0 0



2. Необходимо, чтобы у переменных была значительная **изменчивость**! Если сформировать выборку изначально однотипных особей, нечего надеяться выявить там корреляции.



3. Коэффициент корреляции Пирсона очень чувствителен к аутлаерам.



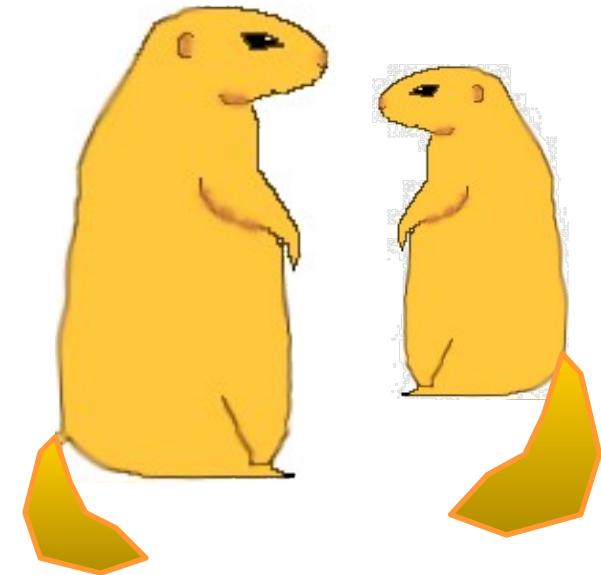
## Важное замечание:

Корреляция совершенно **не подразумевает** наличие **причинно-следственной связи!**

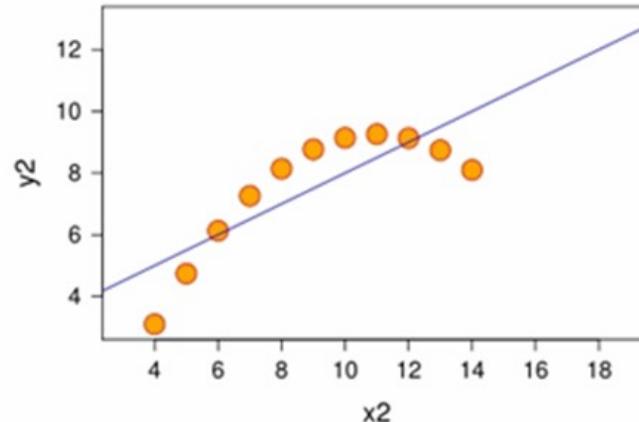
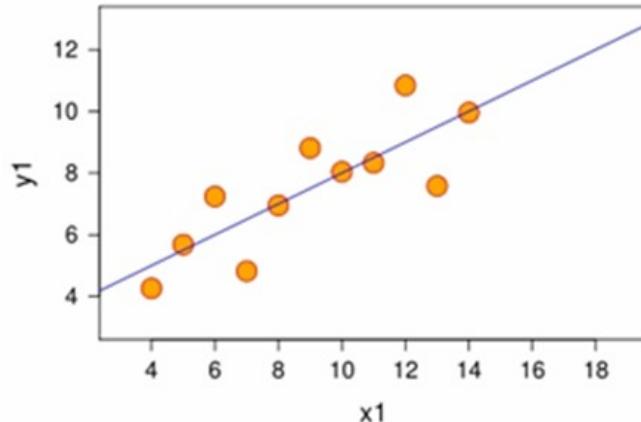
Она **ВООБЩЕ НИЧЕГО** о ней **НЕ ГОВОРИТ** (даже очень большой  $r$ )

Для пары связанных показателей  $X$  и  $Y$ ,  
возможно:

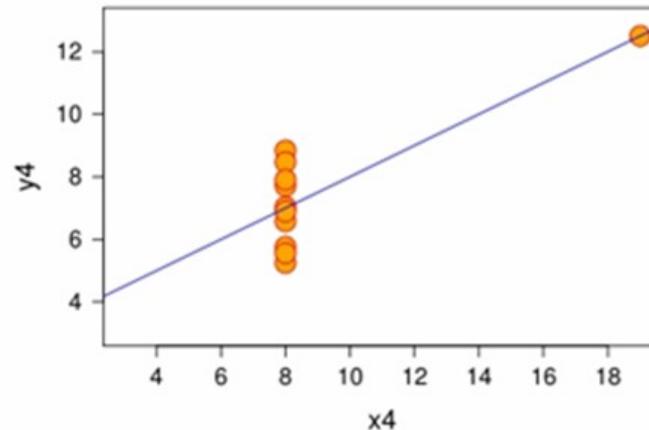
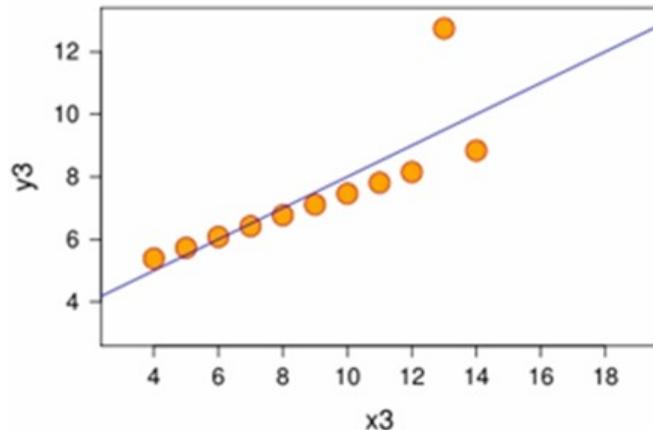
- 1)  $X$  является причиной  $Y$ ;
- 2)  $Y$  является причиной  $X$ ;
- 3)  $X$  и  $Y$  являются следствиями одной причины  $N$ ;
- 4) связь обусловлена более сложными механизмами с вовлечением большого числа показателей.



Коэффициент корреляции Пирсона – параметр **выборки**.  
Можем ли мы на основе него судить о **популяции**?  
Просто глядя на коэффициент – НЕТ.



**Correlation** between each  $x$  and  $y$  = **0.816**



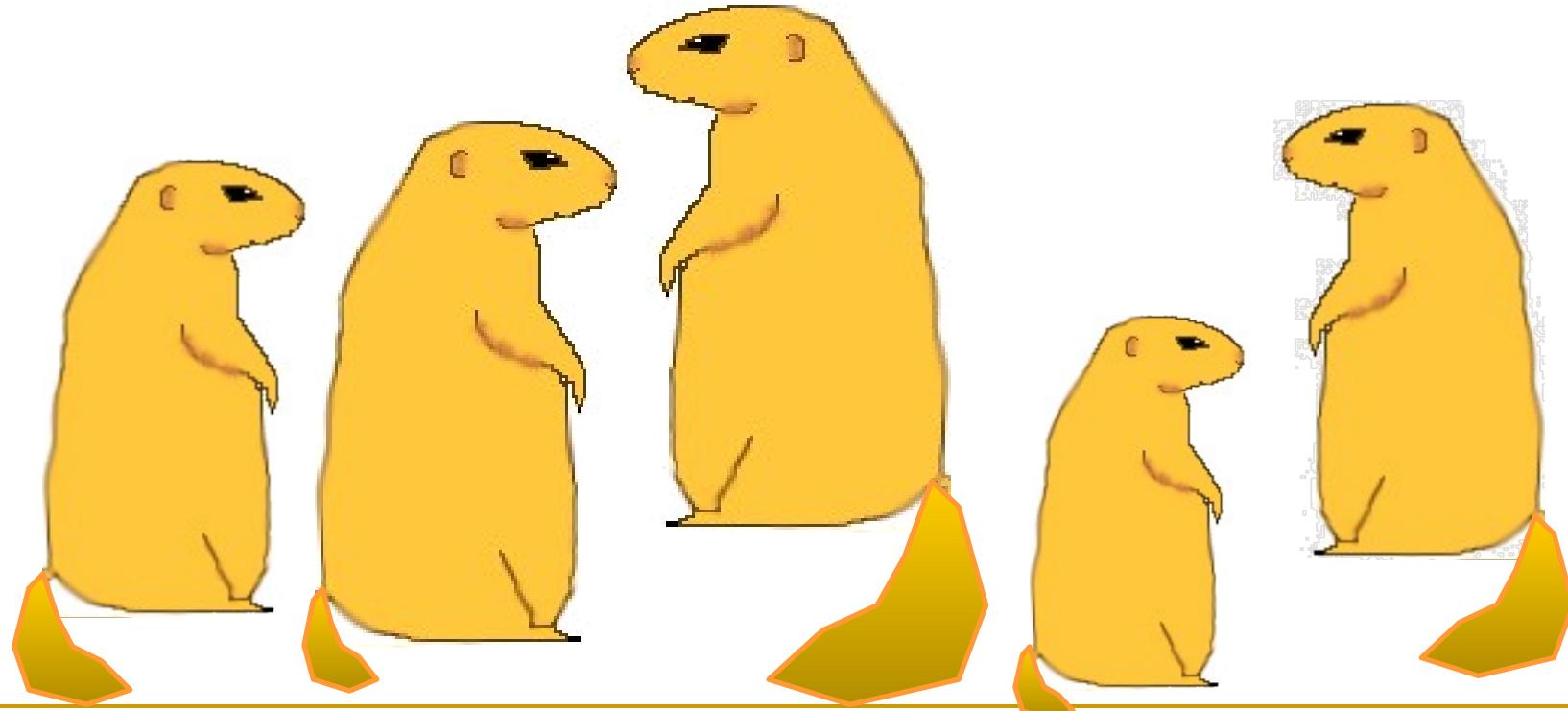
Мы хотим оценить коэффициент корреляции в популяции.

$H_0: \rho=0$

(альтернативная гипотеза может быть односторонней)

$H_1: \rho \neq 0$

Связаны ли у сусликов масса тела и длина хвоста?



Статистика =

$$\frac{\text{параметр выборки} - \text{параметр популяции}}{\text{стандартная ошибка параметра выборки}}$$



$$t = \frac{r - \rho}{s_r} \longrightarrow$$

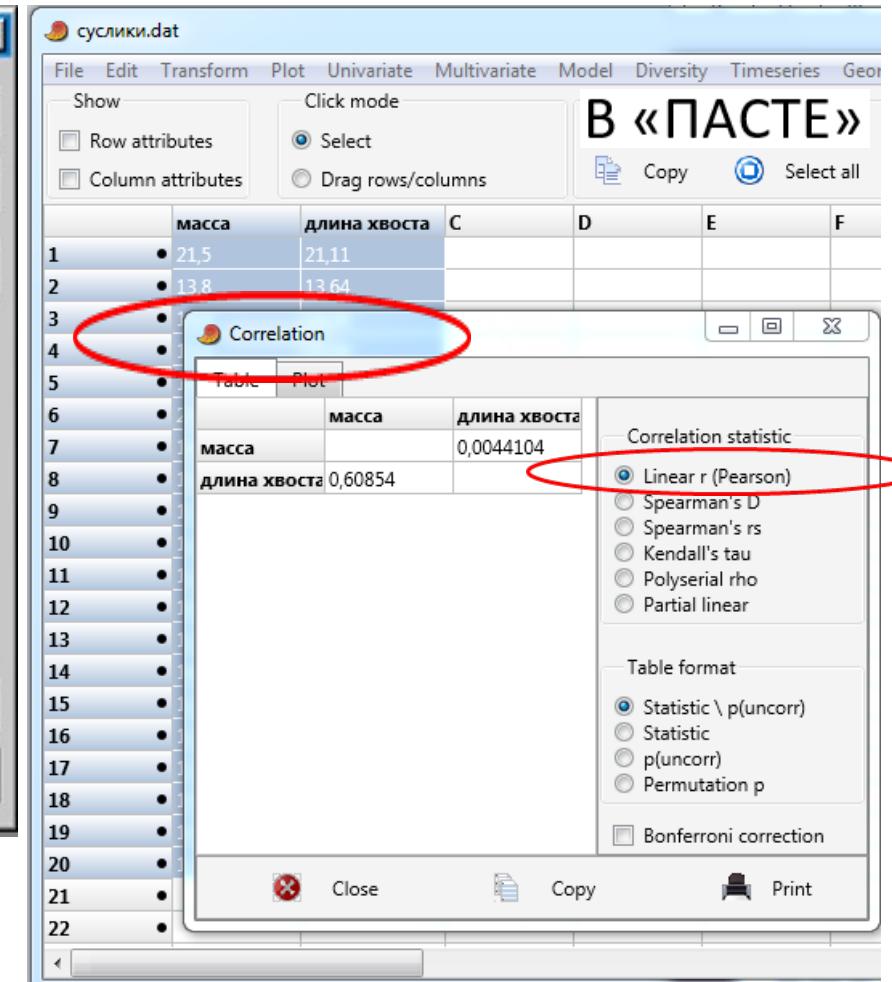
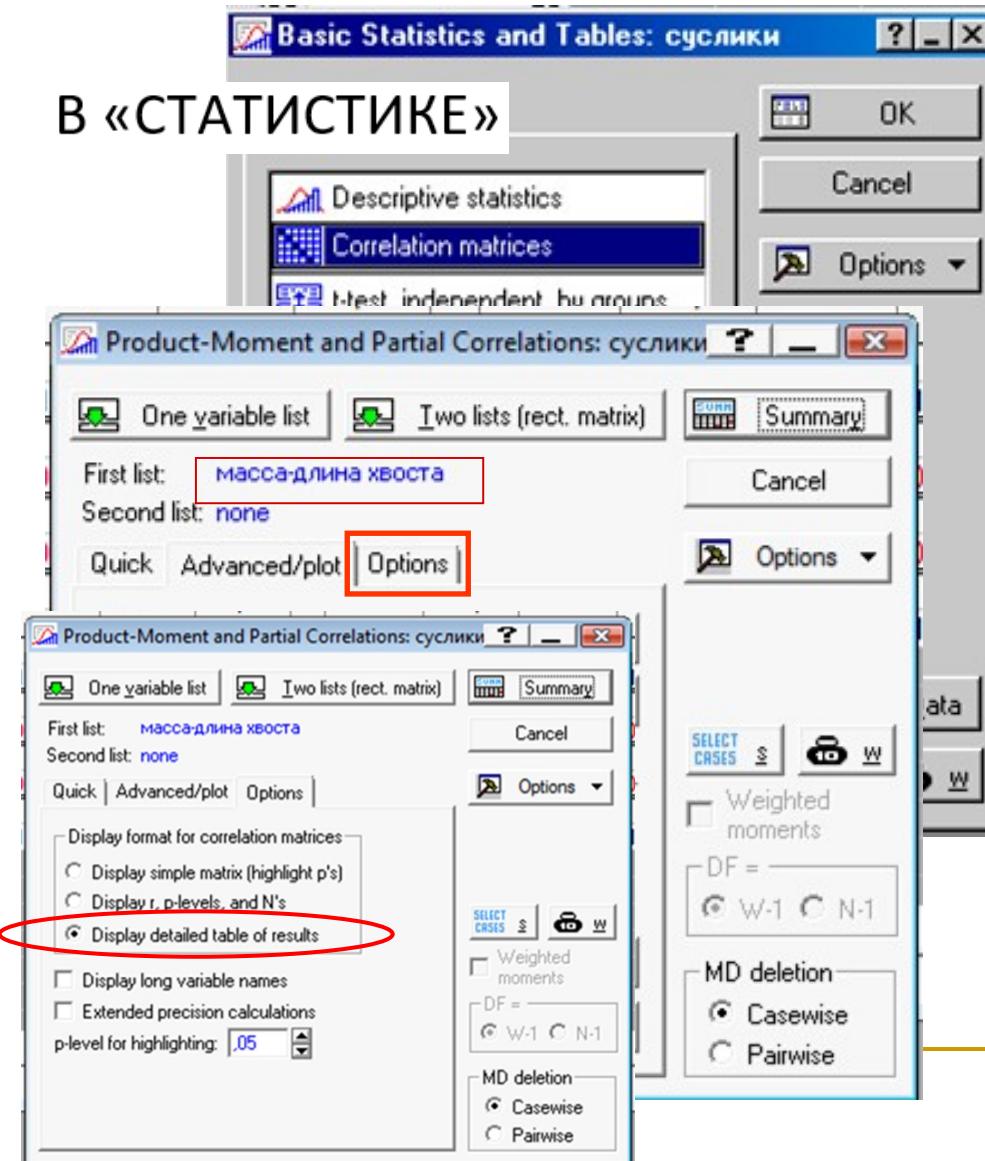
$$t = \frac{r}{s_r}$$

стандартная ошибка  
коэффициента корреляции

$$s_r = \sqrt{\frac{1 - r^2}{n - 2}}$$

# Pearson product-moment correlation coefficient $r$

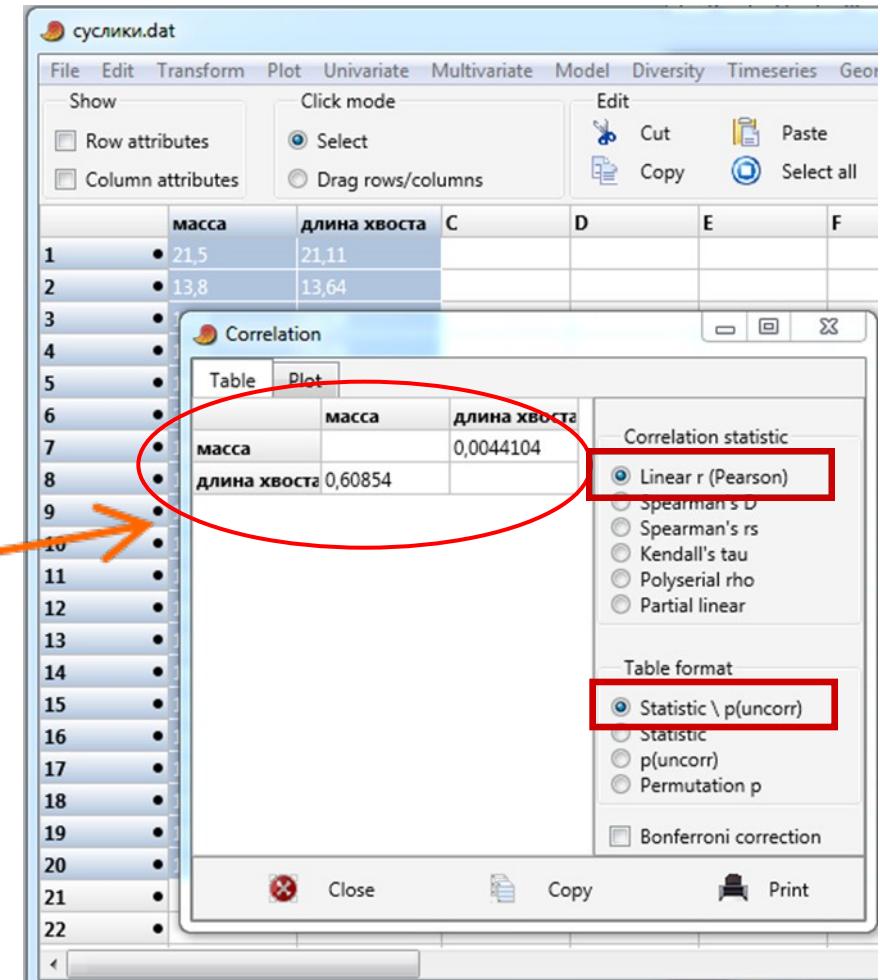
В «СТАТИСТИКЕ»



Отвергаем  $H_0$ :

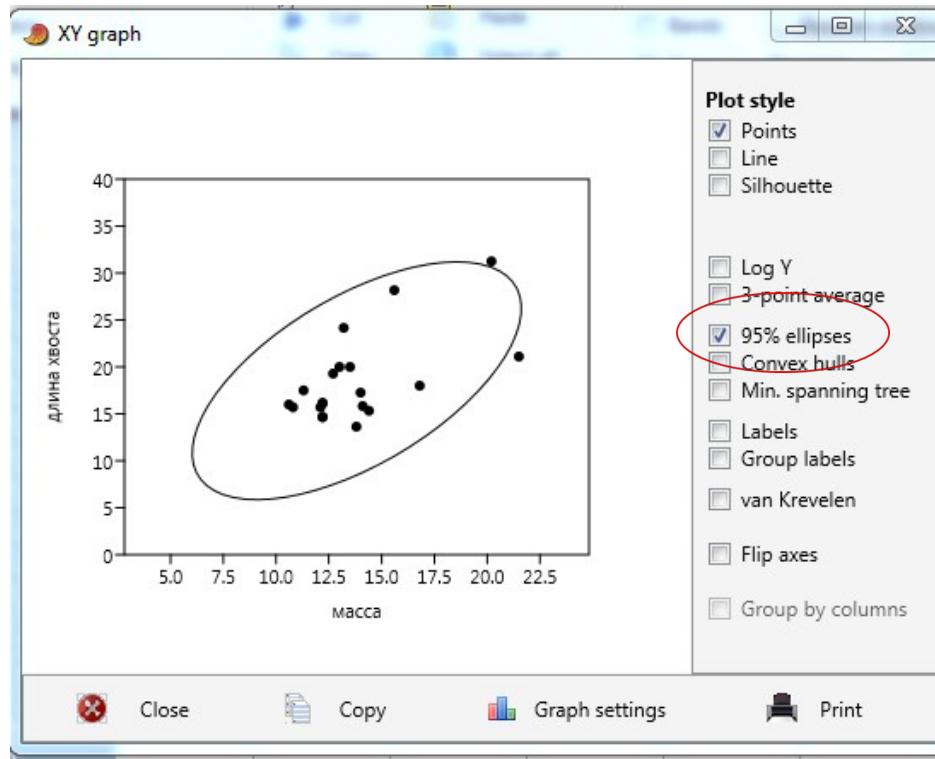
Масса тела у сусликов  
положительно связана с  
длиной хвоста

Связь положительная  
(знак +),  
средней силы (0,6  
находится в промежутке 0,3-  
0,7),  
статистически значимая  
( $p=0,004$  – меньше 0,05)



статистическая значимость — самостоятельная характеристика, зависящая как от силы связи, так и от объёма выборки. На очень маленькой выборке достаточно сильная связь может оказаться незначимой ( $P > 0,05$ ), а на очень большой выборке можно обнаружить значимой ( $P < 0,05$ ) даже очень слабую связь.

## Построение графика — диаграммы рассеяния (scatter plot).



Путь: Plot — XY graph.

В случае использования линейной корреляции Пирсона мы имеем право обвести облако точек 95%-ным доверительным эллипсом.  
Чем уже эллипс — тем сильнее связь.

## Корреляции

В статьях обычно приводят сам коэффициент корреляции Пирсона (значение  $t$  не столь обязательно).

Он сам и является показателем практической значимости (**effect size**) корреляции.

В биологии и медицине обычно считается, что, если абсолютное значение коэффициента находится в интервале

**(0 - 0,3] — связь слабая,**

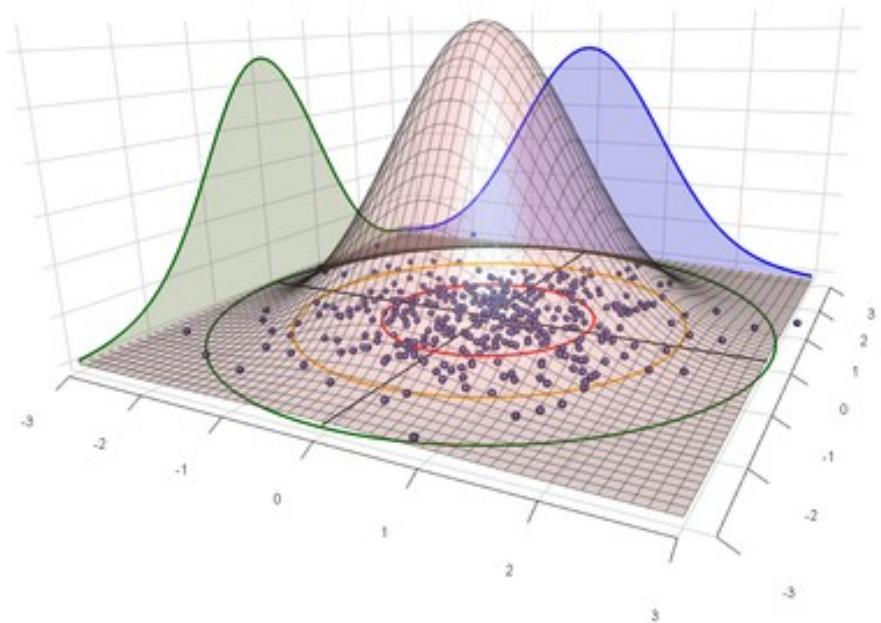
**(0,3 - 0,7] — связь средней силы,**

**(0,7 - 1] — связь сильная**



## Требование к выборке для тестирования гипотезы о коэффициенте корреляции Пирсона:

- 1 Для каждого  $X$  значения  $Y$  должны быть распределены нормально, и для каждого  $Y$  все  $X$  должны иметь нормальное распределение -



*двумерное нормальное распределение* (bivariate normal distribution)

2. Должно соблюдаться требование гомогенности дисперсии  $X$  для каждого  $Y$  и наоборот.

# РЕГРЕССИОННЫЙ АНАЛИЗ



*Вася*

Рост братьев.

$r=0.7$ : если Вася высокий, то,  
**скорее всего**, Юра тоже  
высокий. Но можем ли мы  
предсказать, **насколько  
высокий?**

Сам коэффициент корреляции  
этого нам не скажет.

Ответ нам даст  
**РЕГРЕССИОННЫЙ АНАЛИЗ.**



*Юра*

## Регрессии

Регрессионный анализ – инструмент для количественного **предсказания** значения одной переменной на основании другой.

Для этого в линейной регрессии строится прямая – **линия регрессии**.

### Простая линейная регрессия:

Даёт нам правила, определяющие линию регрессии, которая лучше других предсказывает одну переменную на основании другой (переменных всего две).

По оси Y располагают переменную, которую мы хотим предсказать (зависимую, dependent), а по оси X – переменную, на основе которой будем предсказывать (независимую, independent).

**РЕГРЕССИЯ** (*regression*) – предсказание одной переменной на основании другой. Одна переменная – независимая (*independent*), а другая – зависимая (*dependent*).

**Пример:** чем больше еды съедает каждый день детёныш бегемота, тем больше у него будет прибавка в весе за месяц

**КОРРЕЛЯЦИЯ** (*correlation*) – показывает, в какой степени две переменные **СОВМЕСТНО ИЗМЕНЯЮТСЯ**. Нет зависимой и независимой переменных, они эквивалентны.

**Пример:** длина хвоста у суслика коррелирует положительно с его массой тела

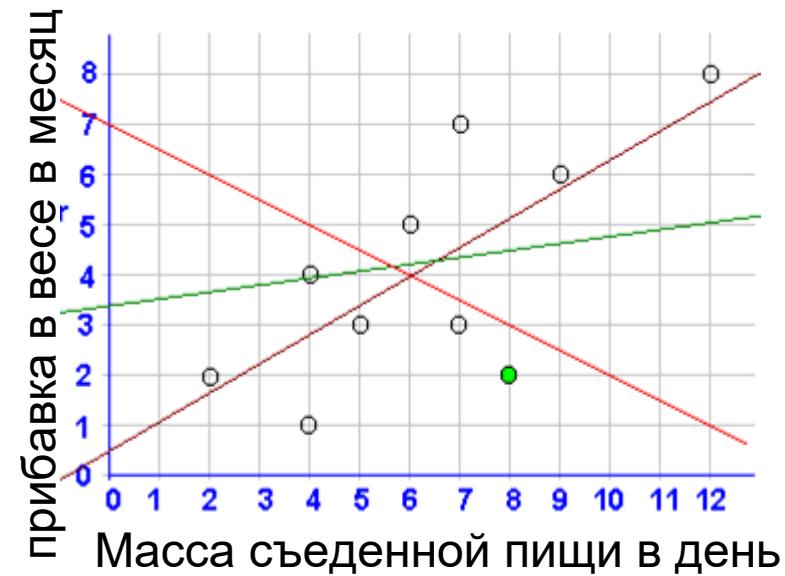
**ЭТО НЕ ОДНО И ТО ЖЕ!**

Мы изучаем поведение молодых бегемотов в Африке. Мы хотим узнать, как зависит прибавка в весе за месяц от количества пищи, съедаемой в день, у этих зверей?

У нас **две переменные** – 1. кол-во съедаемой в день пищи, кг (independent); 2. прибавка в весе за месяц, кг (dependent)



Мы ищем прямую, которая наилучшим образом будет предсказывать значения  $Y$  на основании значений  $X$ .



## Простая линейная регрессия (*linear regression*)

Y – **зависимая** переменная

X – **независимая** переменная

a и b - коэффициенты регрессии

$$\hat{Y}_i = a + bX_i$$

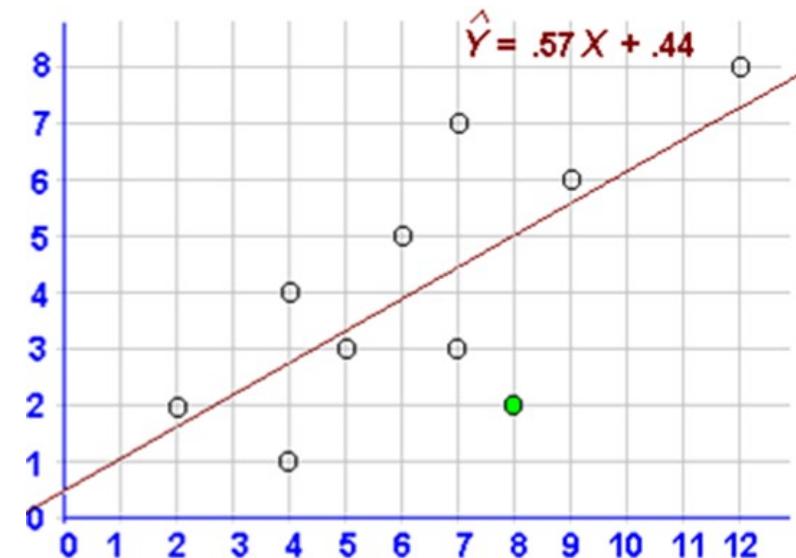
**b** – характеризует **НАКЛОН** прямой (slope); это самый важный коэффициент;

**a** – определяет точку пересечения прямой с осью OY; не столь существенный (intercept).

Это уравнение регрессии  
для **ВЫБОРКИ**

$$Y_i = \alpha + \beta X_i$$

уравнение для **ПОПУЛЯЦИИ**



Задача сводится к поиску коэффициентов  $a$  и  $b$ .

$$b = r \frac{s_X}{s_Y}$$

коэффициент корреляции Пирсона

стандартные отклонения для  $X$  и  $Y$

$$\bar{Y} = a + b\bar{X} \longrightarrow a = \bar{Y} - b\bar{X}$$

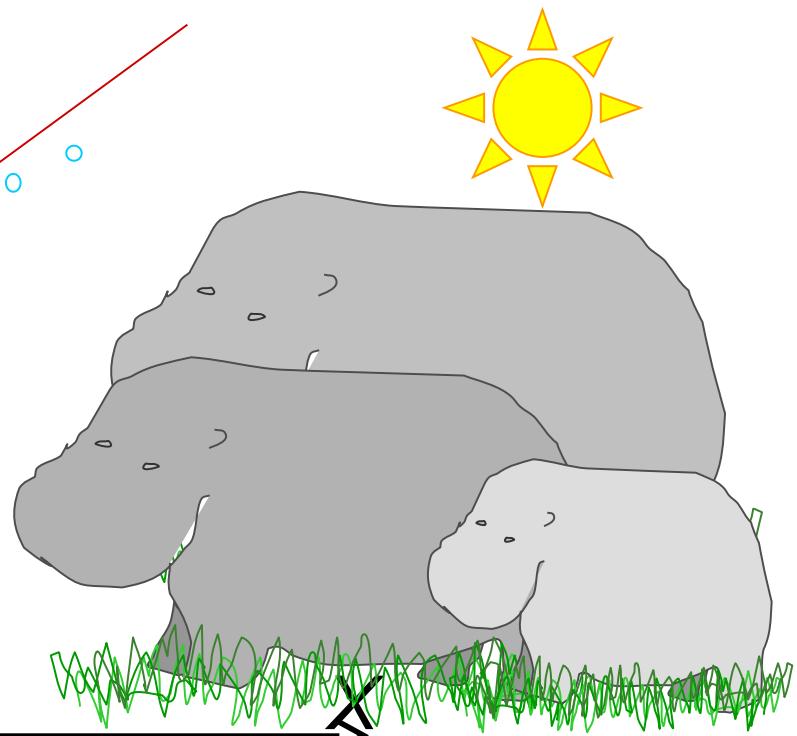
Линия регрессии всегда проходит через точку  $(\bar{X}, \bar{Y})$ ,  
то есть через середину графика.

$b$  – определяет, насколько изменится  $Y$  на единицу  $X$ ;  
имеет тот же знак, что и  $r$ .

Прибавка в весе в месяц, кг

$$\hat{Y}_i = a + bX_i$$

Масса съеденной пищи в день



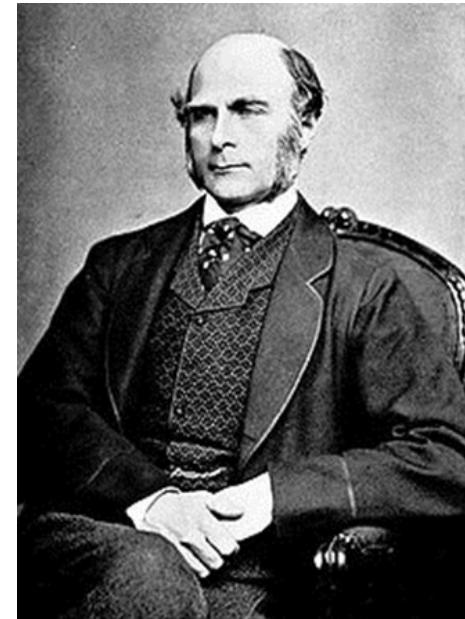
Если  $r=0.0$ , линия регрессии всегда горизонтальна. Чем ближе  $r$  к нулю, тем труднее на глаз провести линию регрессии. А **чем больше  $r$ , тем лучше предсказание**.

Важная особенность нашего предсказания:  
предсказанное значение  $Y$  всегда ближе к среднему значению, чем то значение  $X$ , на основе которого оно было предсказано – **регрессия к среднему**.

# Закон регрессии к среднему Фрэнсиса Гальтона

## Фрэнсис Гальтон

в 1886-1889 годах провёл серию измерений, в том числе изучил **205** пар родителей и **930** их взрослых детей и опубликовал ряд статей, в которых им был сформулирован **«закон регрессии к среднему»** или, как иногда его переводят: **«закон регрессии к посредственности»**.



Francis Galton  
(1822-1911)

# Закон регрессии к среднему Фрэнсиса Гальтона

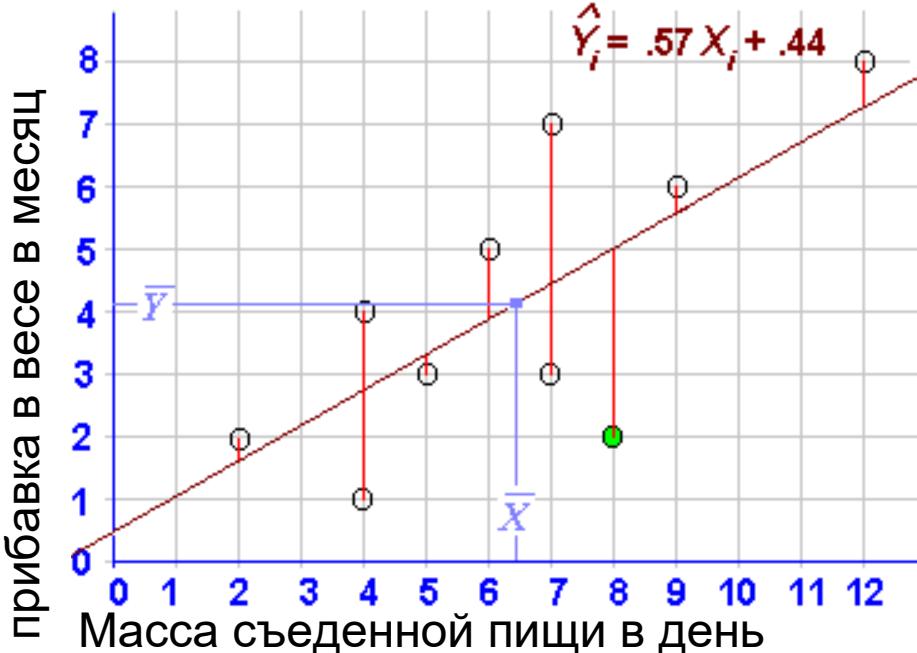
Было установлено, что для многих непрерывных признаков, таких как рост и интеллект, взрослое потомство данного родителя отклоняется в меньшей степени от среднего значения для данной популяции, чем родитель, то есть, потомки «регressируют» к среднему для популяции.



Фрэнсис Гальтон этому наблюдению дал название «закон дочерней регрессии к посредственности». Он считал его фундаментальным законом наследственности.

## Ошибка предсказания и поиск «лучшей» линии

Очевидно, что точки не лежат на самой линии регрессии.



$$e_i = Y_i - \hat{Y}_i$$

Ошибка предсказания (residual) = «остатки»

е положительно для точек **над** прямой и отрицательно для точек **под** прямой.

$$Y_i = \alpha + \beta X_i + \varepsilon_i \quad \text{Для популяции}$$

$$Y_i = a + b X_i + e_i \quad \text{Для выборки}$$

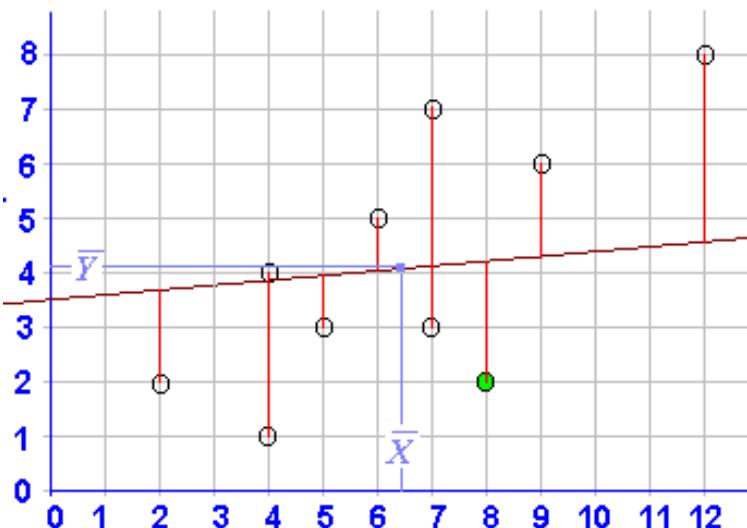
**важно:** нельзя пытаться предсказывать Y на основе значений X, лежащих за пределами размаха X в выборке.

## Как определить «лучшую» линию регрессии?

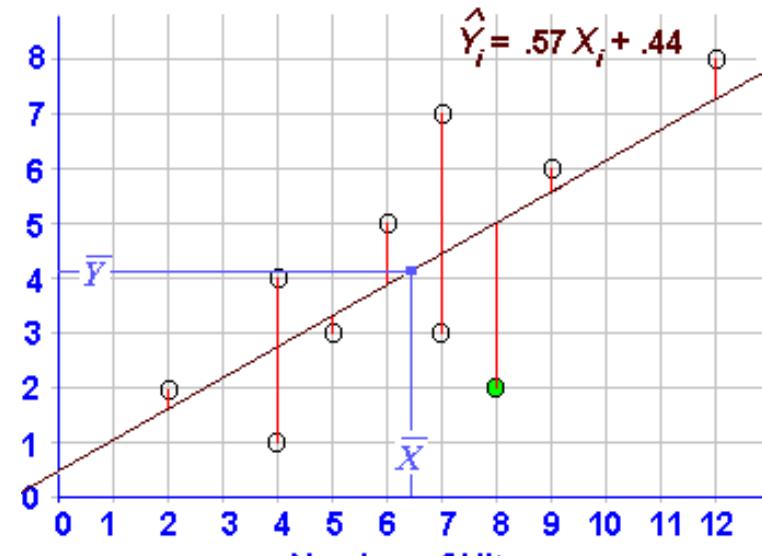
Метод наименьших квадратов:

линию регрессии подбирают такую, чтобы общая сумма квадратов ошибок (residuals) была наименьшей

$$\sum e_i = 0$$



$$\sum e_i^2 - \text{минимальна}$$



$\sum e_i^2$  - residual sum of squares = residual SS

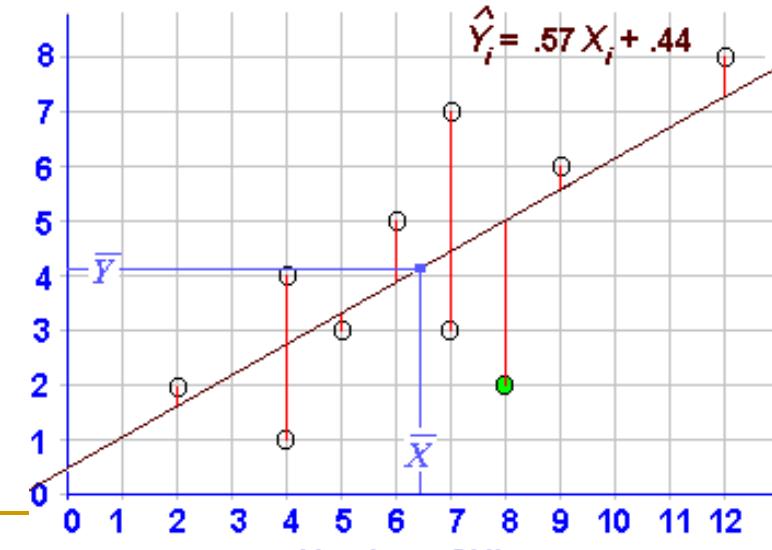
## Насколько хорошо «лучшая» линия регрессии предсказывает Y?

Чем меньше **стандартное отклонение ошибок  $e$** , (standard error of estimate), тем точнее предсказание (потому, что оно напрямую зависит от размера самих ошибок).

$$s_e = \sqrt{\frac{\sum (e_i - \bar{e})^2}{n-2}} = \sqrt{\frac{\sum e_i^2}{n-2}}$$

$$s_e = s_Y \sqrt{1 - r^2} \sqrt{\frac{n-1}{n-2}}$$

зависит от квадрата коэффициента корреляции



В регрессионном анализе, как и в ANOVA, используют разные **суммы квадратов отклонений** (SS) для разных источников изменчивости, и на их основе **тестируют гипотезы**.

$$SS_{total} = \sum (Y_i - \bar{Y})^2$$

$$SS_{regression} = \sum_i (\hat{Y}_i - \bar{Y})^2$$

$$SS_{residual} = \sum_i (Y_i - \hat{Y}_i)^2$$

$$SS_{total} = SS_{regression} + SS_{residual}$$

Для каждого SS считают соответствующий  $MS = SS/DF$   
( $df=1$  и  $df=n-2$ )

$$H_0: \beta = 0$$

$$H_1: \beta \neq 0$$

$$F = \frac{MS_{regression}}{MS_{residual}}$$

Эту же гипотезу можно протестировать с помощью t-статистики:

$$t = \frac{b - \beta_0}{s_b} = \frac{b}{s_b}$$

Причём  $t^2 = F$



На самом деле,  
**если  $r$  достоверно отличается от нуля, то и  $\beta \neq 0$ !**  
То есть, если мы отвергаем  $H_0$  о том, что  $r=0$ , то нулевая гипотеза о коэффициенте  $\beta$  отвергается автоматически.

## Коэффициент детерминации

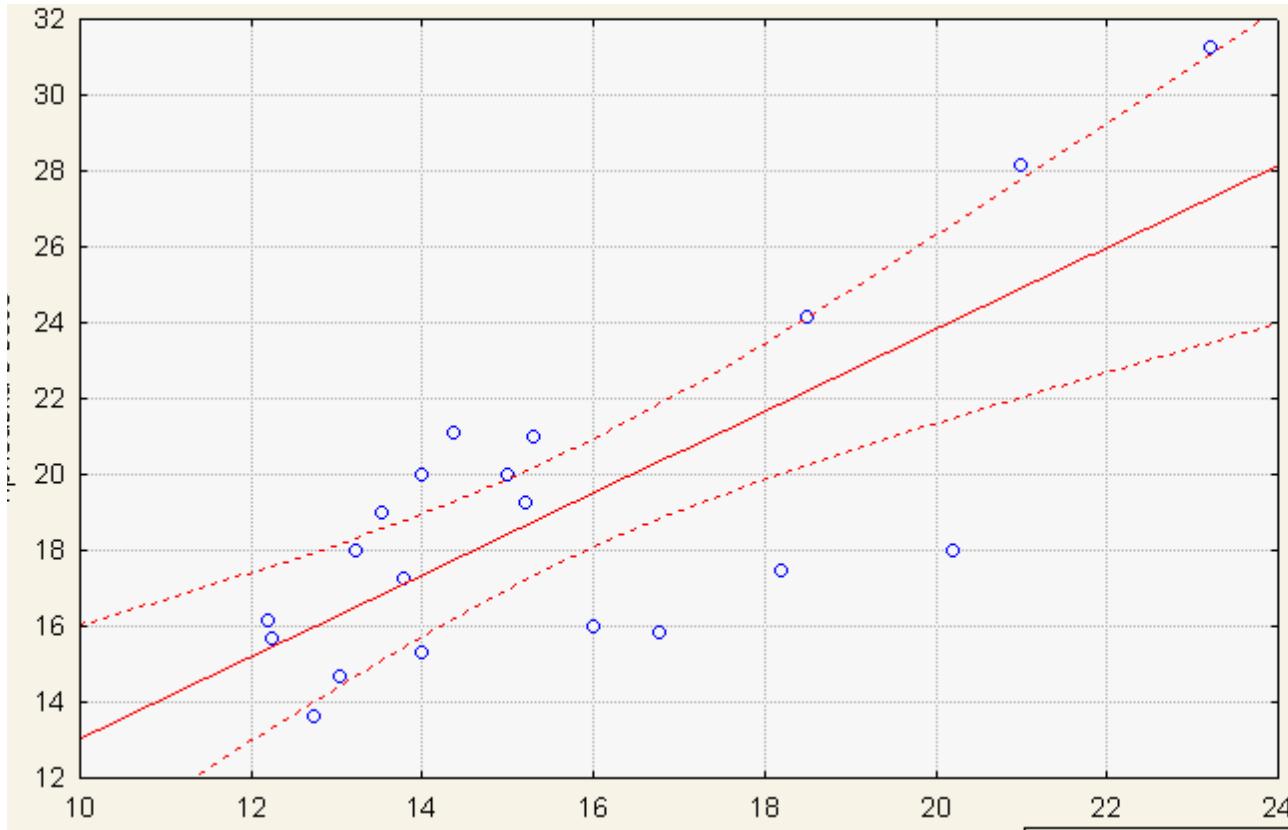
$$R^2 = \frac{SS_{regression}}{SS_{total}} = \frac{\sum_i (\hat{Y}_i - \bar{Y})^2}{\sum_i (Y_i - \bar{Y})^2}$$

Показывает, какую долю изменчивости (буквально, её даже можно выразить в процентах) зависимой переменной ( $Y$ ) объясняет независимая переменная (регрессионная модель)

$r$  – коэффициент корреляции,  $r^2 = R^2$

Насколько велик или мал коэффициент корреляции 0.3?  
 $0.3^2 = 0.09$ , независимая переменная объясняет только около 1/10 изменчивости зависимой переменной.

Доверительный интервал для значений зависимой переменной: строится для каждого значения  $X$ , причём наименьшая ошибка получается для среднего  $Y$ .



С ростом числа наблюдений доверительный интервал сужается к линии регрессии

## Сравнение двух (и более) уравнений линейной регрессии

1. Сравнение коэффициентов наклона  $b_1$   $b_2$
2. Сравнение коэффициентов сдвига  $a_1$  и  $a_2$

На основе критерия Стьюдента

3. Сравнение двух линий регрессии в целом  
(предполагается, что если линии для 2-х выборок у нас сильно различаются, и мы объединим выборки, то общая линия по этим двум выборкам будет хуже описывать изменчивость, остаточная дисперсия будет больше) –  
на основе F-критерия

# Множественная линейная регрессия и корреляция (multiple regression)

**Простая линейная регрессия:** одна зависимая переменная и одна независимая.

**Множественная регрессия:** исследуется влияние НЕСКОЛЬКИХ независимых переменных на ОДНУ зависимую.

**Множественная корреляция:** исследуется связь нескольких переменных, среди которых невозможно выделить зависимую.

Например, мы хотим узнать, как на прибавку в весе у бегемотов (**1 зависимая** переменная) влияют: средняя масса пищи, съедаемой в день; продолжительность сна в сутки; подвижность бегемота (км/день) (**3 независимых непрерывных** переменных).



## Уравнение регрессии:

для популяции

$$Y_i = \alpha + \beta_1 X_{1i} + \beta_2 X_{2i} + \dots + \beta_m X_{mi} + \varepsilon_i$$

для выборки

$$\hat{Y}_i = a + b_1 X_{1i} + b_2 X_{2i} + \dots + b_m X_{mi}$$

Это уже не прямая, это уже либо плоскость (для 3-х переменных), либо пространство.

## Тестирование гипотез для множественной регрессии:

Если для простой регрессии можно было проверить только гипотезу относительно коэффициента корреляции, в множественной регрессии без SS, MS и F не обойтись – этот анализ тоже называется ANOVA

$$H_o: \beta_1 = \beta_2 = \dots = \beta_m = 0$$

$$F = \frac{MS_{regression}}{MS_{residual}}$$

Source of variation	Sum of squares (SS)	DF*	Mean square (MS)
Total	$\sum(Y_j - \bar{Y})^2$	$n - 1$	
Regression	$\sum(\hat{Y}_j - \bar{Y}_j)^2$	$m$	$\frac{\text{regression SS}}{\text{regression DF}}$
Residual	$\sum(Y_j - \hat{Y}_j)^2$	$n - m - 1$	$\frac{\text{residual SS}}{\text{residual DF}}$

\* $n$  = total number of data points (i.e., total number of  $Y$  values);  $m$  = number of independent variables in the regression model.

## Коэффициент детерминации (coefficient of determination)

$$R^2 = \frac{SS_{regression}}{SS_{total}}$$

Считается по тому же принципу, что и для простой регрессии, и тоже показывает, какую долю общей изменчивости зависимой переменной объясняет модель, т.е., совместное влияние всех независимых переменных.

Multiple correlation coefficient:

аналогичен коэффициенту корреляции Пирсона

$$R = \sqrt{R^2}$$

Adjusted coefficient of determination:

(Отрегулированный КД) лучше, чем просто  $R^2$ , так как не увеличивается с ростом кол-ва переменных в модели

$$R_a^2 = 1 - \frac{MS_{residual}}{MS_{total}}$$

## Multicollinearity = ill-conditioning

Множественная взаимозависимость переменных = многократная вырожденность

У нас много переменных, поэтому расчёт коэффициентов и статистик сопряжён с операциями над матрицами. Если какие-то независимые переменные сильно коррелируют между собой, возникает принципиальная проблема в расчётах (матрицы оказываются вырожденными) — коэффициенты регрессии не могут быть рассчитаны.

### Признаки:

- ✓ При удалении (добавлении) какой-либо переменной принципиально меняются коэффициенты при других переменных;
- ✓ при пошаговом анализе выбирая разные способы анализа мы получаем разные результаты.

Что делать? Искать коррелирующие переменные и исключать одну из них из модели.

## Выбор «лучших» независимых переменных

Как выбрать лучшую модель, чтобы наименьшим числом независимых переменных описать наибольшую долю изменчивости  $Y$ ?

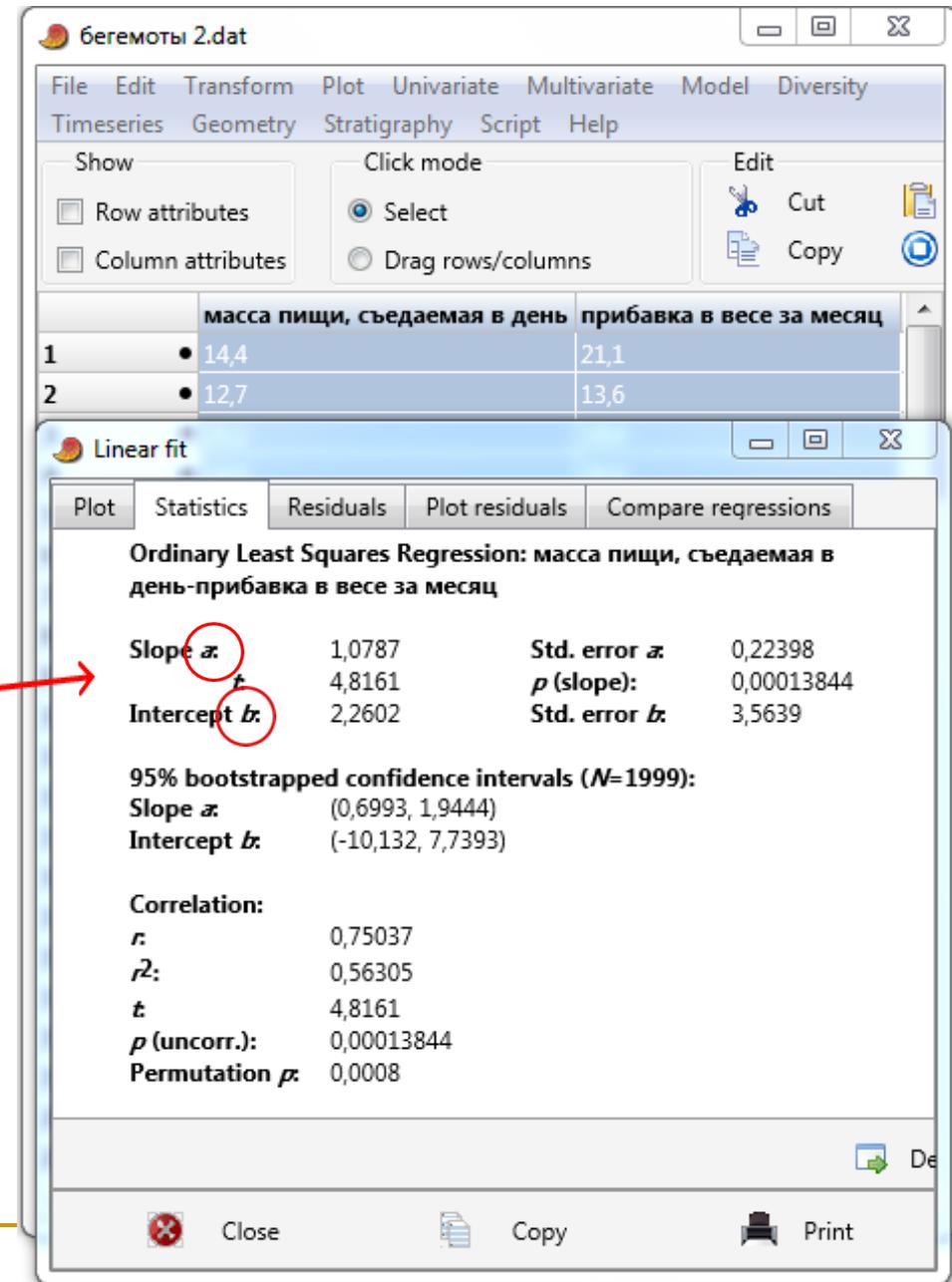
Используют пошаговые модели:

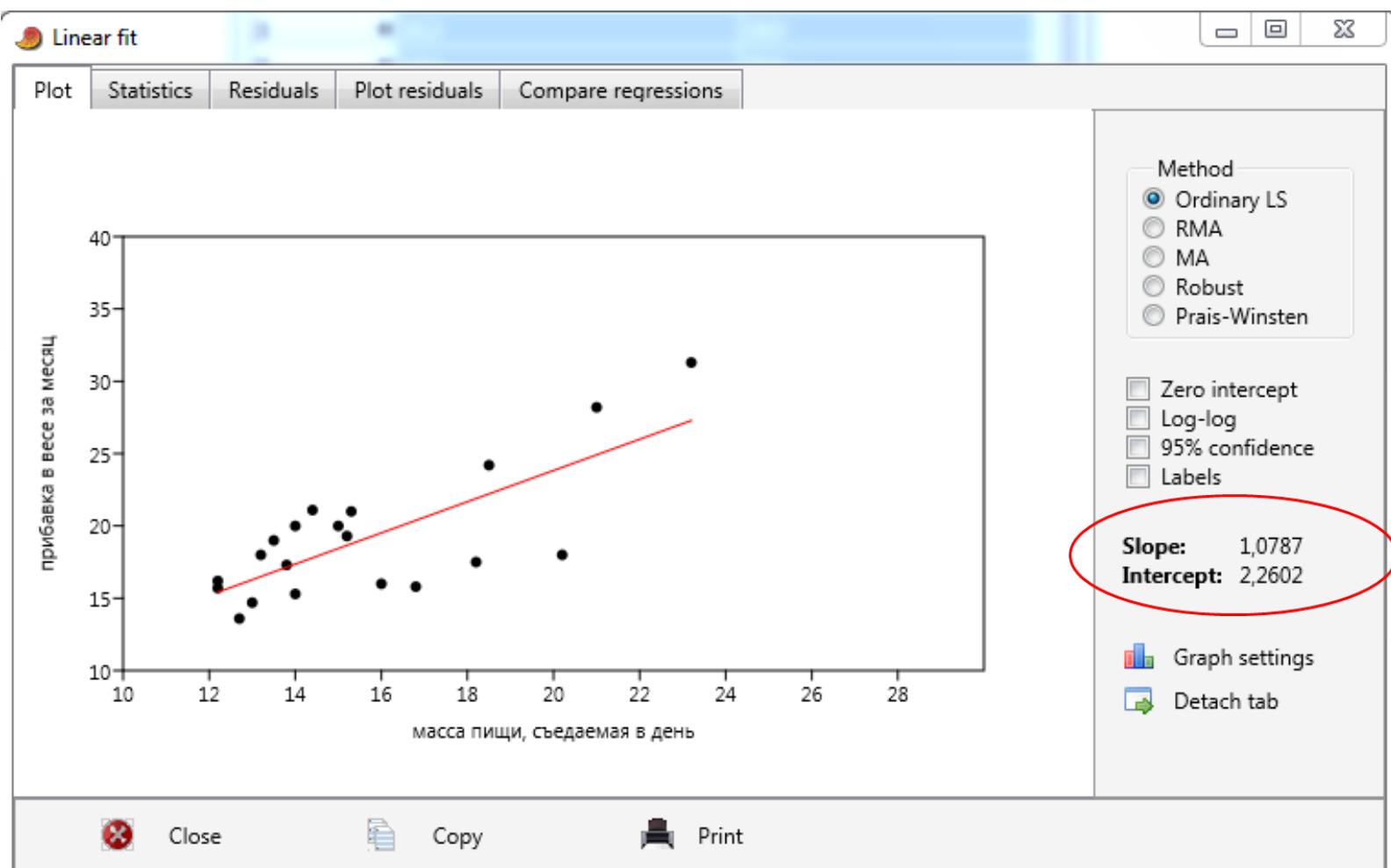
- ✓ Backward elimination – **постепенное удаление переменных из модели.**
- ✓ Forward selection – **постепенное добавление переменных в модель**
- ✓ **Смешанный пошаговый метод анализа.**

# Simple linear regression (простая линейная регрессия)

Коэффициенты  
a и b

У бегемотов прибавка в  
весе положительно  
зависела от массы пищи,  
съедаемой в день





# *Multiple linear regression* (множественная линейная регрессия)

The screenshot shows the R software interface with a data frame titled 'бегемоты 2.dat' and a 'Multiple linear regression' dialog box.

**Data Frame:**

	прибавка в весе за месяц	масса пищи, съедаемая в день	продолжительность сна	расстояние, пройденное за день
1	• 21,1	14,4	10	3
2	• 13,6	12,7	5,8	4
3	• 18,0	20,2	7	4,5
4	•			
5				
6				
7				
8				
9				
10				
11				
12				
13				
14				
15				
16				
17				
18				

**Multiple linear regression (1 dependent, n independent) Dialog:**

Statistics      Numbers

Dependent variable: прибавка в весе за месяц

$N$ : 20

Multiple  $R$ : 0,80584

Multiple  $R^2$ : 0,64938

Multiple  $R^2$  adj.: 0,58364

ANOVA

$F$ : 9,8779

$df1, df2$ : 3, 16

$p$ : 0,00063238

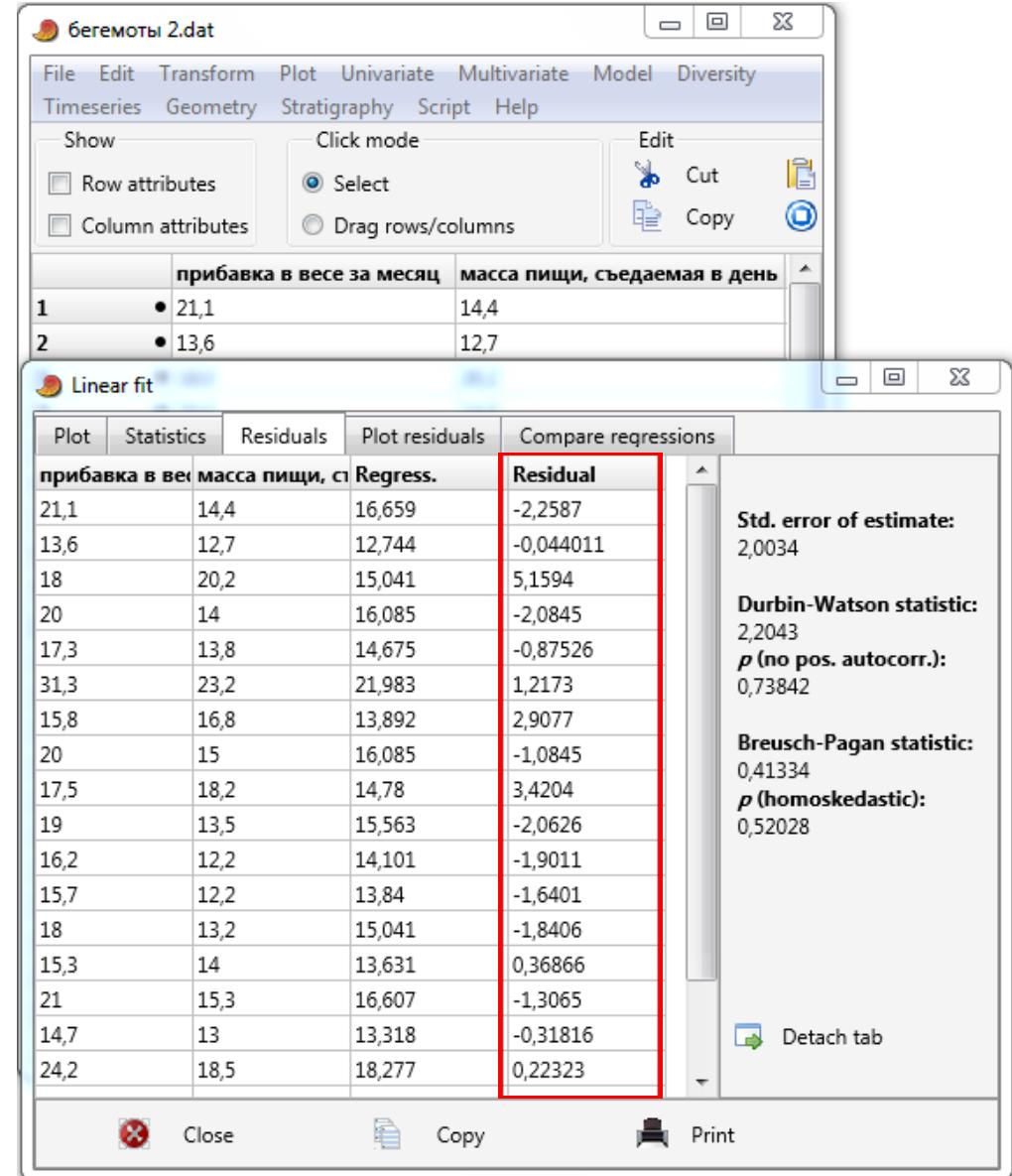
Close      Copy      Print

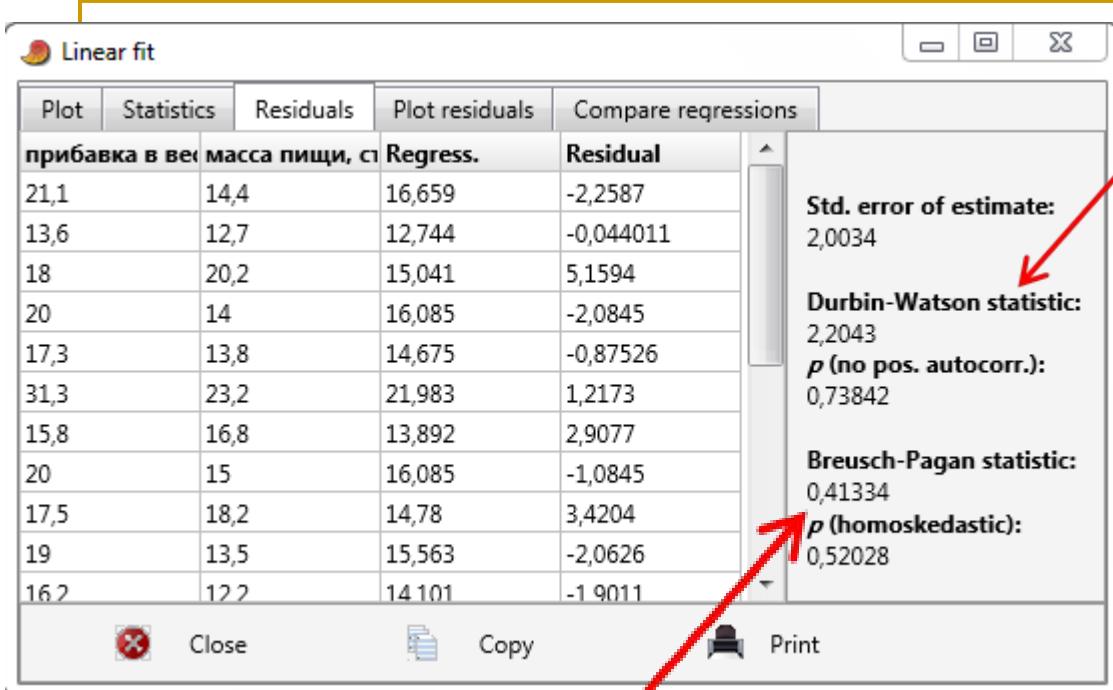
# Закладки Residuals Plot

## residuals — анализ остатков.

**Остаток** — отклонение реального значения  $Y$  от предсказанного для данной точки регрессией.

Несмотря на значимость линейной регрессии, её форма может не быть оптимальной для данных.  
Поэтому полезно проанализировать остатки: они должны быть случайно и нормально распределены относительно линии регрессии, со средним, равным 0.





**Критерий Бройша — Пагана (Breusch-Pagan test)** проверяет однородность дисперсии остатков. Если  $p \leq 0,05$ , значит дисперсии остатков неоднородны

**Критерий Дарбина — Уотсона (Durbin-Watson test)** проверяет случайность распределения остатков.

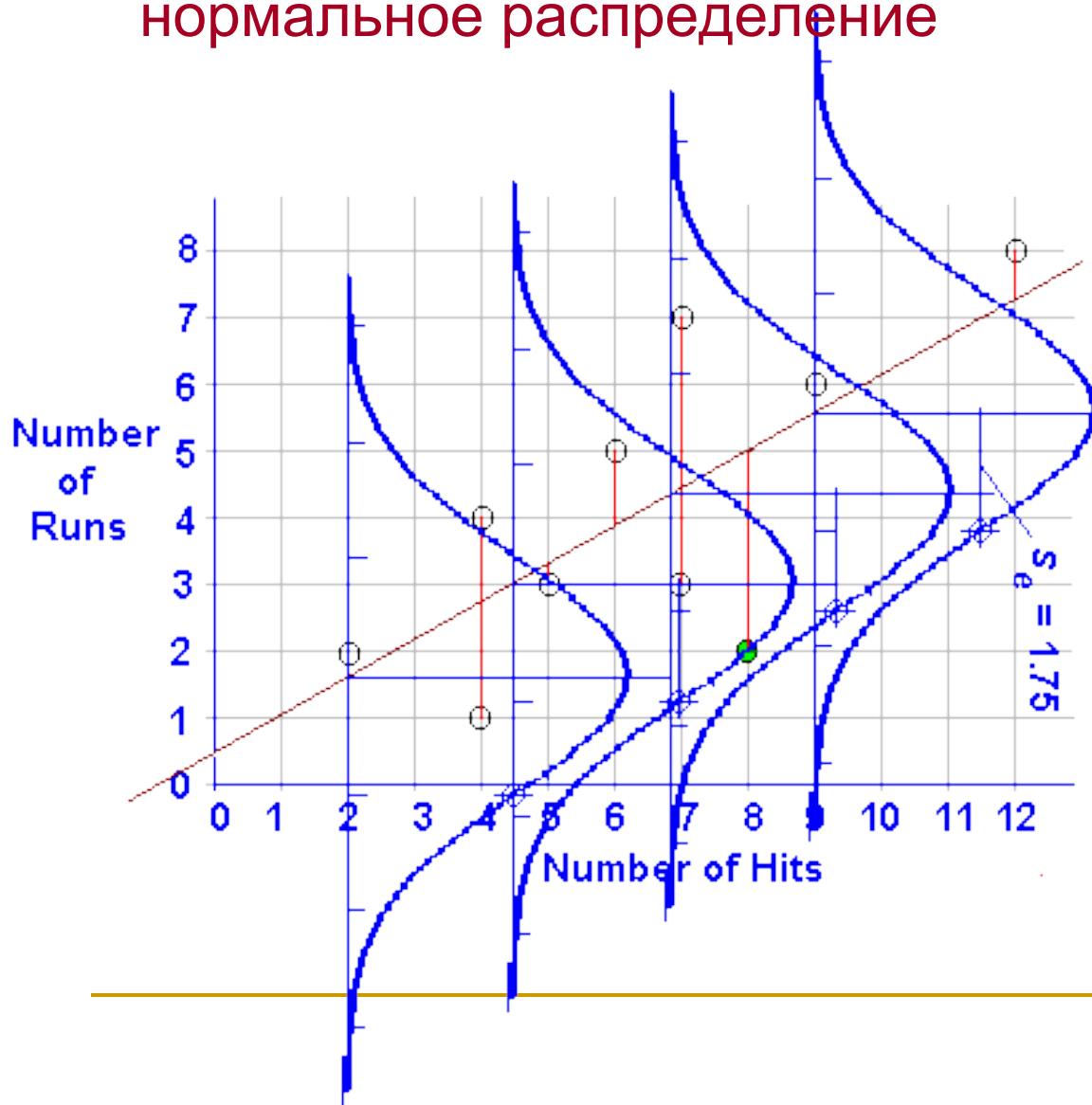
Если  $p \leq 0,05$ , значит существует **автокорреляция**: каждое последующее значение остатка зависит от предыдущего.

Критерий проверяет условие независимости наблюдений друг от друга — обязательное условие применения однофакторного линейного регрессионного анализа.

## Требования к выборке для проведения регрессионного анализа

1. Ожидаемая зависимость переменной  $Y$  от  $X$  должна быть **линейной**
2. Для любого значения  $X_i$   $Y$  должна иметь **нормальное распределение**, и residuals тоже должны быть распределены нормально
3. Для любого значения  $X_i$  выборки для  $Y$  должны иметь **одинаковую дисперсию** (homogeneity)
4. Для любого значения  $X_i$  выборки для  $Y$  должны быть **независимы** друг от друга
5. Размер выборки должен более чем в 10 раз превосходить число переменных в анализе (лучше – в 20 раз)
6. Следует исключить аутлайнеры

Для любого значения  $X_i$   $Y$  должна иметь  
нормальное распределение



Например, прибавка в  
весе для всех  
бегемотов, съедавших  
по 20 кг в день имеет  
нормальное  
распределение



## Нелинейная регрессия

Иногда связь между зависимой и независимой переменной нелинейная. Например:

$$Y_i = \alpha \beta^{X_i} + \epsilon_i \quad \text{экспоненциальный рост}$$

$$Y_i = \alpha - \beta(e^{-\gamma X_i}) + \epsilon_i \quad \text{асимптотическая регрессия}$$

$$Y_i = \frac{\alpha}{1 + \beta \delta^{X_i}} + \epsilon_i \quad \text{логистический рост}$$

$$Y_i = \alpha X_i^\beta \epsilon_i$$

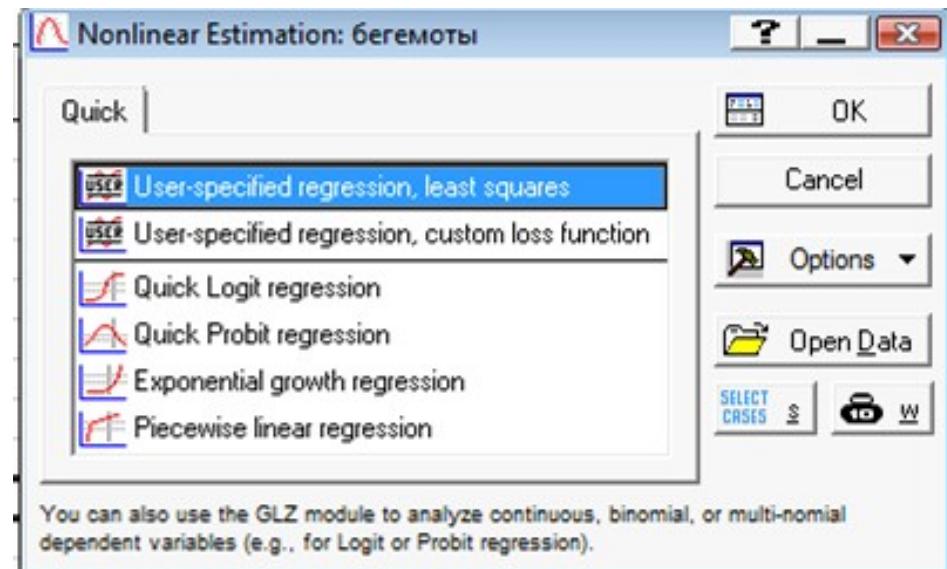
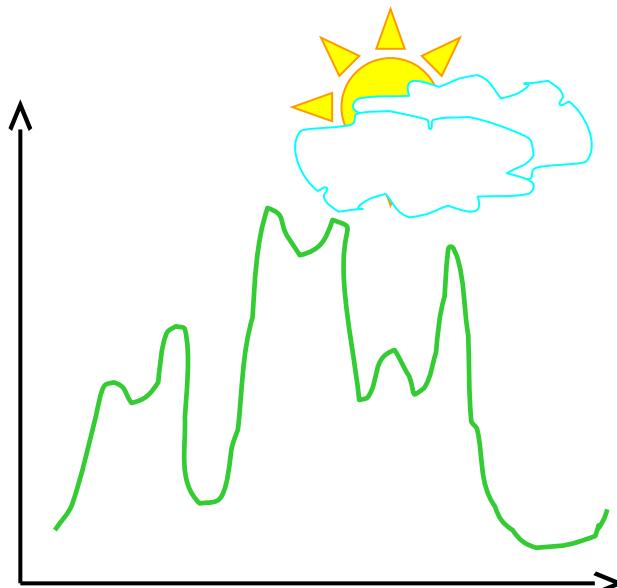
Отдельный случай – **полиномиальная регрессия**.

$$Y_i = \alpha + \beta_1 X_i + \beta_2 X_i^2 + \beta_3 X_i^3 + \cdots + \beta_m X_i^m + \epsilon_i$$

В статистике каждый  $X^m$  обозначают как новую переменную и дальше анализируют почти как линейную модель.

В случае, если наши переменные связаны друг с другом принципиально не линейной зависимостью:

1. можно трансформировать данные и привести зависимость к линейной (логарифмирование, извлечение квадратного корня и пр.);
2. Можно предположить (или угадать) функцию, которая их связь отражает и потом сравнить данные с ней



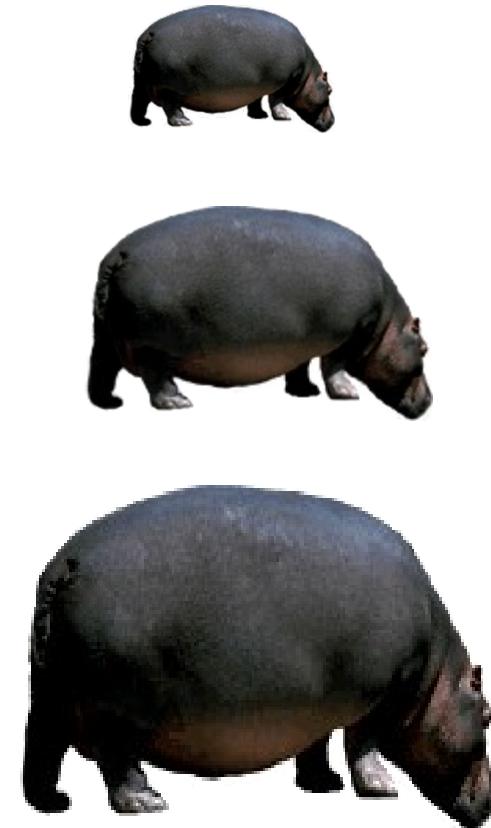
## ANCOVA

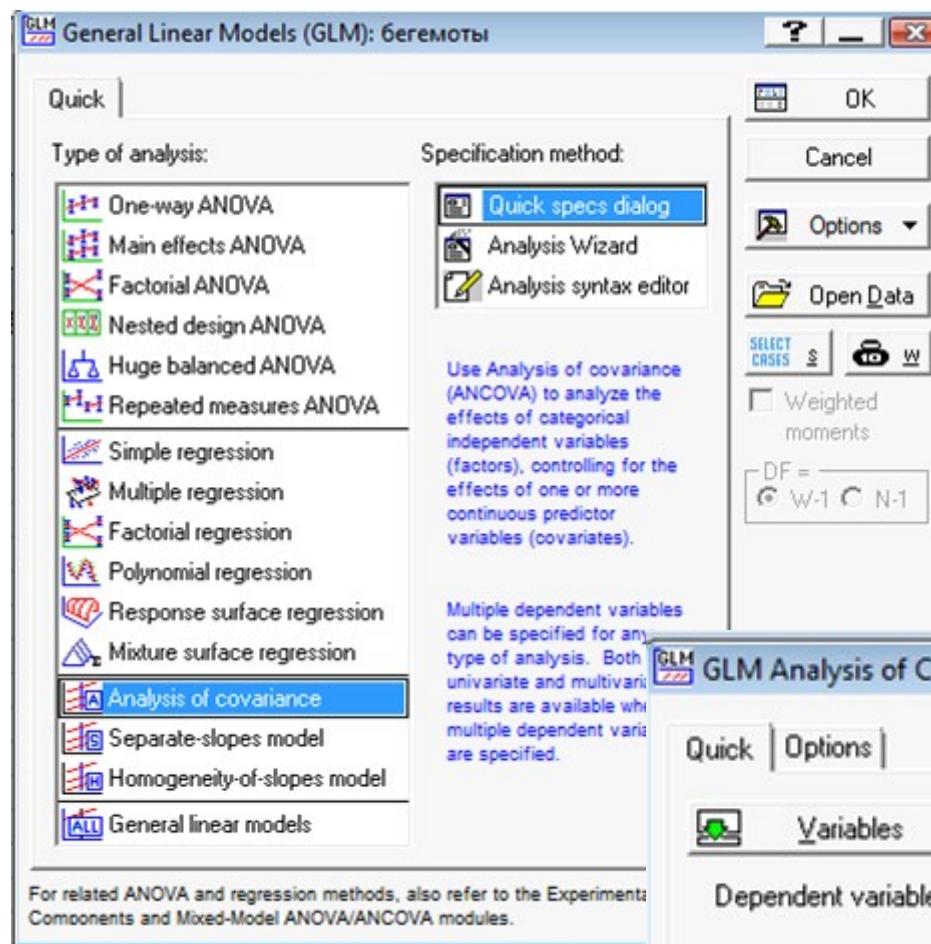
Модель, когда исследуется действие **и** группирующей, и непрерывной независимых переменных на непрерывную зависимую переменную

**Пример:** мы анализируем  
влияние  
типа местообитания  
(группирующая независимая  
переменная) и  
длительности кормления  
(непрерывная независимая  
переменная)  
на прибавку в весе у бегемотов

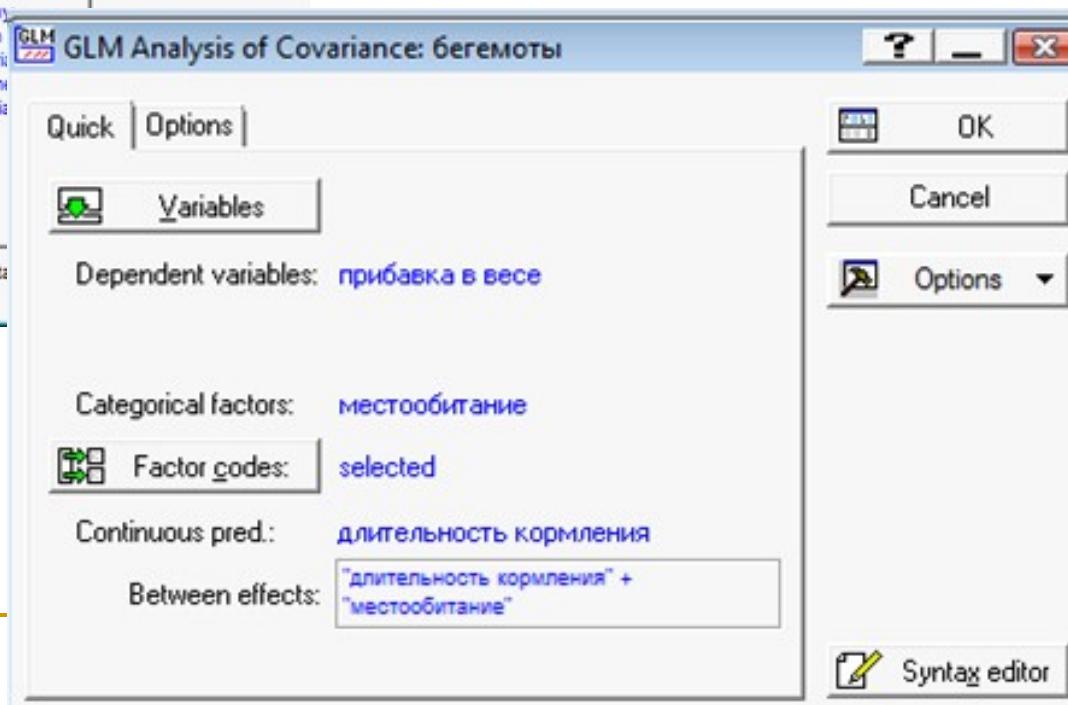
(непрерывная зависимая переменная).

**ANCOVA** (*analysis of covariance*) –  
комбинированный тип анализа – *ANOVA + регрессионный анализ*





ANCOVA: прибавка в весе у бегемотов в разных типах местообитания



Тип местообитания не влиял на прибавку в весе, она зависела только от длительности кормления.

Univariate Tests of Significance for прибавка в весе (бегемоты)					
Effect	Univariate Tests of Significance for прибавка в весе (бегемоты) Sigma-restricted parameterization Effective hypothesis decomposition				
	SS	Degr. of Freedom	MS	F	p
Intercept	4,9196	1	4,9196	0,48372	0,496721
длительность кормления	185,0210	1	185,0210	18,19214	0,000592
местообитание	1,8211	2	0,9106	0,08953	0,914815
Error	162,7262	16	10,1704		

1 4

 Univariate Tests of Significance for прибавка в весе (бегемоты)  Univariate Tests of Significance for прибавка в весе (бегемоты)

# Выбор модели в GLM (Обобщенных Линейных Моделях)

Независимые переменные	Зависимые переменные	Модель
Одна группирующая	Одна непрерывная	<b>One-way ANOVA</b> Однофакторный дисперсионный анализ
Много группирующих	Одна непрерывная	<b>Factorial ANOVA</b> (two-, multiway). Main effect ANOVA Многофакторный дисперсионный анализ
Одна или много группирующих	Много непрерывных	<b>MANOVA</b> (multivariate ANOVA) Многомерный дисперсионный анализ
Одна непрерывная	Одна непрерывная	<b>Simple regression</b> Простая линейная регрессия
Много непрерывных	Одна непрерывная	<b>Multiple regression</b> Множественная линейная регрессия
Одна группирующая (или много) + одна непрерывная (или много)	Одна непрерывная	<b>ANCOVA</b> ANOVA + регрессионный анализ

«Много» = 2 и больше

**Спасибо за внимание!**

