

# Казанский медицинский журнал, Том 105, № 6 (2024)

Дифференциальная экспрессия гена *SLC34A2* в различных гистологических подтипах карцином яичника

Нургалиева А.К., Фетисов Т.И., Кузин К.А., Шакирова Э.Ж., Киямова Р.Г.

## Аннотация

**Актуальность.** Больные карциномой яичника проявляют разную чувствительность к химиотерапии, поэтому для повышения эффективности лечения необходимо учитывать особенности опухоли каждой пациентки, включая гистологический подтип.

**Цель.** Поиск новых молекулярных маркёров рака яичника путём анализа экспрессии генов-кандидатов, включая *BAX*, *SLC34A2*, *MUC16*, *CD300A* и *XKR8*, в карциномах яичника разных гистологических подтипов.

**Материал и методы.** Анализ экспрессии генов *BAX*, *SLC34A2*, *MUC16*, *CD300A* и *XKR8* в 33 карциномах с учётом гистологических подтипов проводили с помощью полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. Образцы опухолей пациенток с карциномой яичника были получены из НМИЦ онкологии им. Н.Н. Блохина (Москва) и Республиканского клинического онкологического диспансера (Казань) и распределены на группы по гистологическим подтипам: серозные высокой ( $n=16$ ) и низкой ( $n=6$ ) степени злокачественности, эндометриоидные ( $n=8$ ) и муцинозные ( $n=3$ ). Дополнительный анализ был осуществлён с использованием данных микрочипов из открытой базы данных Gene Expression Omnibus для определения экспрессии отобранных генов-кандидатов в карциномах яичника разных гистологических подтипов. Набор данных включал 4 образца нормального яичника и 95 образцов карцином яичника различных гистологических подтипов: серозных ( $n=41$ ), эндометриоидных ( $n=37$ ), муцинозных ( $n=13$ ). Статистический анализ данных выполнен с использованием программного обеспечения Prism. Для сравнения экспрессии генов в нескольких группах пациенток применяли непараметрический тест Данна.

**Результаты.** Выявлено повышение уровня экспрессии гена *SLC34A2* в серозных карциномах низкой степени злокачественности ( $p=0,0257$ ) по сравнению с муцинозными карциномами. С помощью биоинформатического анализа мы выявили повышенную экспрессию гена *SLC34A2* в серозных ( $p=0,0023$ ) и эндометриоидных карциномах яичника ( $p=0,0355$ ) по сравнению с нормальными тканями яичника.

**Вывод.** Ген *SLC34A2* можно рассматривать в качестве потенциального молекулярного маркёра для дифференциальной диагностики гистологических подтипов рака яичника и мишени для терапии пациенток с серозной карциномой яичника низкой степени злокачественности.