

Российская академия наук
Палеонтологический институт им. А.А. Борисяка

Кафедра палеонтологии Геологического факультета
Московского государственного университета им. М.В. Ломоносова
Палеонтологическое общество
Московское общество испытателей природы

СОВРЕМЕННАЯ ПАЛЕОНТОЛОГИЯ: КЛАССИЧЕСКИЕ И НОВЕЙШИЕ МЕТОДЫ

**ЧЕТЫРНАДЦАТАЯ ВСЕРОССИЙСКАЯ НАУЧНАЯ ШКОЛА
МОЛОДЫХ УЧЕНЫХ-ПАЛЕОНТОЛОГОВ**

**2–4 октября 2017 г.
Палеонтологический институт
им. А.А. Борисяка РАН, Москва**

ТЕЗИСЫ ДОКЛАДОВ

Москва 2017



Научный руководитель школы
А.Ю. Розанов

Редакционная коллегия:
Д.В. Василенко, Н.В. Зеленков, П.Ю. Пархаев

КОРРЕЛЯЦИЯ ПЕРМО-ТРИАСОВЫХ ОТЛОЖЕНИЙ ВОСТОЧНОЙ ЕВРОПЫ И СИБИРИ ПО КОНХОСТРАКАМ С ИСПОЛЬЗОВАНИЕМ ПРОГРАММЫ CONOP

В.В. Жаринова, М.А. Лаврухина

Казанский (Приволжский) федеральный университет
Россия, 420008 Казань, ул. Кремлевская, 4/5
vevzharinova@kpfu.ru

Конхостраки широко распространены в континентальных отложениях перми и триаса различных регионов Земли. При этом некоторые виды характеризуются узким временным диапазоном своего существования. Данные о распределении отдельных видов в пермских и триасовых отложениях помогают уточнить положение границы перми и триаса, а также провести корреляцию разрезов. Однако при корреляции отложений возникают проблемы, связанные с синонимикой видов, перерывами, отсутствием окаменелостей в разрезах.

Для повышения точности геологической корреляции П.М. Садлером и Р.А. Купером в 2003 г. была разработана программа *Constrained Optimisation Correlation (CONOP)*, позволяющая проводить корреляцию разрезов с помощью специального алгоритма. Программа основана на базе данных, включающей уровни первых появлений (*first appearance datum, FAD*) и вымираний (*last appearance datum, LAD*) таксонов. Алгоритм программы заключается в минимизации несоответствия между теоретической последовательностью FAD и LAD видов и их FAD и LAD в конкретных разрезах. В результате создается шкала временных распространений таксонов. Программа рассматривает все внесенные в базу данных таксоны одинаково, но при этом исследователь может сам указать «корреляционный вес» каждого таксона. В настоящее время данный метод используется исследователями по всему миру для различных возрастных интервалов: ордовик, силур, девон, карбон, пермь, мел, палеоген.

В настоящее время авторы создают базу данных для программы CONOP, вводя в нее FAD и LAD различных видов конхострак из разрезов средней-верхней перми и нижнего триаса Восточно-Европейской платформы, Печорского и Кузнецкого бассейнов, Тунгусской синеклизы. Помимо этого, в базу данных вводится информация по другим группам фауны и по флоре, а также абиотические корреляционные параметры.

С помощью программы CONOP планируется в дальнейшем определить виды-индексы, по которым можно проводить наиболее надежную корреляцию, провести детальную корреляцию исследуемых разрезов по фауне конхострак, а также изучить динамику изменения биоразнообразия на рубеже перми и триаса.